

An approach for triplex-isobaric peptide termini labeling (Triplex-IPTL)

Christian J. Koehler, Magnus Ø. Arntzen, Gustavo Antonio de Souza and Bernd Thiede

Table S1: Table of all IPTL-quantified protein groups with their respective ratios and significances.

Abbreviations:	Norm., normalized; Sign.; significance; Add., additional
Ratio count:	Sum of quantified triplex-MS/MS fragments
Protein groups:	UniProt ID
Protein cluster:	According to figure 3
Cell death:	X = corresponding GO term
Mitotic cell cycle:	X = corresponding GO term
APdb:	X = entry in the ApoptoProteomics database (apoptoproteomics.uio.no)
Peptide IDs:	Number of identified peptides
Peptide quant.:	Number of quantifiable peptides

Protein Groups	Protein Cluster	Heavy/Light				Heavy/Medium				Medium/Light				Gene ontology	Apoptosis	Add. protein details		
		Norm. ratio	Sign.	Ratio count	CV	Norm. ratio	Sign.	Ratio count	CV	Norm. ratio	Sign.	Ratio count	CV			Score	Peptide IDs	Peptide quant.
IDE_HUMAN	I	1.15	0.35	16	14.6	2.04	0.01	12	4.6	1.18	0.23	13	6.5			123	3	3
SF3B1_HUMAN	I	1.16	0.34	23	6.4	3.02	0.00	22	3.0	1.10	0.34	23	3.5			430	4	3
UBA1_HUMAN	I	1.41	0.15	58	9.9	1.68	0.04	56	7.5	1.05	0.43	54	4.6	X		880	14	8
RAB14_HUMAN	I	1.46	0.12	28	8.5	1.81	0.02	30	5.2	1.02	0.48	35	8.7			507	12	4
PGK1_HUMAN	I	1.54	0.09	138	6.1	1.27	0.22	164	9.4	1.46	0.04	155	5.2			2197	52	31
CISD1_HUMAN	I	1.54	0.09	26	8.1	1.63	0.05	28	7.5	1.15	0.27	26	5.3			199	3	3
SCMC1_HUMAN	I	1.64	0.07	29	7.3	2.23	0.00	27	3.5	0.83	0.25	28	6.6			259	5	4
ADT3_HUMAN	I	1.64	0.06	51	6.5	1.73	0.03	46	4.6	1.11	0.32	50	7.8	X		1010	17	9
TOP2A_HUMAN	I	1.67	0.06	112	8.4	1.26	0.23	119	8.1	1.53	0.02	113	5.5	X	X	1086	15	14
DDX17_HUMAN	I	1.70	0.05	39	6.0	1.26	0.23	45	9.9	1.44	0.04	40	8.2			587	9	5
TWF2_HUMAN	I	1.72	0.05	6	3.9	1.64	0.05	4	0.4	0.91	0.36	4	1.7			37	3	2
PDIA3_HUMAN	I	1.73	0.04	75	5.0	1.39	0.14	93	7.3	1.17	0.24	68	6.0	X		825	16	13

UBP7_HUMAN	I	1.74	0.04	21	5.3	1.62	0.05	20	7.2	1.15	0.27	20	7.5	X					157	4	3	
TOM70_HUMAN	I	1.75	0.04	21	5.4	1.79	0.02	24	4.3	0.97	0.44	20	10.0						335	5	3	
PSMD8_HUMAN	I	1.76	0.04	24	5.7	1.49	0.09	23	5.2	1.05	0.44	21	3.0	X	X				233	4	2	
PSMD2_HUMAN	I	1.77	0.04	29	8.0	1.50	0.09	29	6.1	1.19	0.21	23	2.3	X	X				266	6	4	
PRP4_HUMAN	I	1.77	0.04	28	7.2	1.01	0.48	28	11.7	1.16	0.25	27	7.0						268	3	3	
RBM26_HUMAN	I	1.79	0.04	17	7.1	1.27	0.22	26	12.0	1.26	0.15	24	5.0					X	181	4	3	
FAHD1_HUMAN	I	1.79	0.04	20	9.3	1.33	0.18	21	8.7	1.14	0.28	20	14.9						210	3	3	
CT072_HUMAN	I	1.81	0.03	8	9.5	1.58	0.06	8	10.3	1.30	0.11	4	1.1						85	2	2	
IF4G2_HUMAN	I	1.81	0.03	22	6.1	1.67	0.04	21	5.8	1.06	0.42	20	7.5	X					290	7	3	
RAB1A_HUMAN	I	1.83	0.03	16	8.7	2.05	0.01	16	6.3	1.01	0.49	16	13.8					X	561	11	2	
TF3C4_HUMAN	I	1.84	0.03	29	10.7	1.44	0.11	25	9.2	0.94	0.40	26	7.9						374	7	3	
PYGL_HUMAN	I	1.85	0.03	6	1.5	1.48	0.09	9	7.0	1.05	0.43	8	5.0						79	4	2	
THUM1_HUMAN	I	1.85	0.03	21	8.0	1.42	0.12	16	15.2	1.18	0.23	18	9.4						126	3	3	
AN32E_HUMAN	I	1.86	0.03	41	7.1	1.21	0.28	38	5.6	1.38	0.07	40	7.2				X		587	5	4	
NDKA_HUMAN	I	1.92	0.02	31	7.8	1.68	0.04	30	6.5	1.34	0.09	28	5.2	X					X	257	7	4
CALU_HUMAN	I	1.93	0.02	20	9.2	1.24	0.25	20	10.2	1.66	0.01	20	12.0					X	396	4	2	
VDAC2_HUMAN	I	1.94	0.02	62	5.2	1.48	0.10	65	6.7	1.21	0.20	57	7.8	X					X	903	14	8
MRT4_HUMAN	I	1.95	0.02	10	6.9	1.25	0.24	6	1.3	1.44	0.04	10	4.3						87	3	2	
AP2A1_HUMAN	I	1.95	0.02	15	4.4	1.42	0.12	15	5.7	1.36	0.08	13	3.4			X			123	2	2	
DJC13_HUMAN	I	1.98	0.02	12	9.3	1.60	0.06	12	9.0	1.41	0.06	13	18.6					X	184	3	2	
EFHD2_HUMAN	I	1.98	0.02	17	5.6	1.72	0.03	18	8.5	1.03	0.48	17	4.4						159	2	2	
DLG1_HUMAN	I	2.00	0.02	12	4.4	1.47	0.10	8	3.9	1.10	0.34	9	5.4		X				198	2	2	
PNPH_HUMAN	I	2.00	0.02	51	6.7	1.59	0.06	53	9.3	1.37	0.07	53	5.9						540	7	6	
PGTA_HUMAN	I	2.01	0.02	14	5.9	1.36	0.15	11	6.9	1.22	0.18	7	15.6						152	2	2	
EIF3H_HUMAN	I	2.03	0.01	12	2.0	1.40	0.13	13	6.7	1.54	0.02	8	0.6			X			295	6	4	
GNPI1_HUMAN	I	2.07	0.01	16	7.7	1.49	0.09	16	7.1	1.35	0.08	16	13.8						129	3	3	
BIEA_HUMAN	I	2.07	0.01	38	5.9	1.28	0.21	40	9.1	1.10	0.34	37	7.0						362	7	5	
TWF1_HUMAN	I	2.08	0.01	19	3.8	1.15	0.34	18	14.3	1.01	0.50	19	9.4						209	5	3	
P4HA1_HUMAN	I	2.11	0.01	32	6.9	1.69	0.04	30	5.9	1.39	0.06	25	10.0						163	9	6	
G6PI_HUMAN	I	2.14	0.01	79	5.2	1.44	0.11	78	7.7	1.37	0.07	77	5.1	X					X	1237	31	11
LETM1_HUMAN	I	2.14	0.01	32	7.1	1.35	0.16	20	10.1	1.23	0.17	33	6.6						317	8	5	
BZW1_HUMAN	I	2.15	0.01	49	7.9	2.09	0.01	55	4.9	1.37	0.07	45	10.4						407	12	8	
PGAM1_HUMAN	I	2.24	0.01	19	3.3	1.81	0.02	20	4.6	1.42	0.05	23	6.5			X			250	4	3	
SAE2_HUMAN	I	2.34	0.00	11	3.6	1.38	0.15	13	5.1	1.61	0.01	15	8.8						129	2	2	

SSRA_HUMAN	I	2.34	0.00	14	4.1	1.46	0.10	14	7.6	1.56	0.02	13	1.3		X		81	2	2
NDRG1_HUMAN	I	2.46	0.00	15	3.0	1.29	0.21	12	6.0	2.01	0.00	14	1.6			X	246	3	2
UBC12_HUMAN	I	2.47	0.00	19	3.0	1.24	0.25	20	6.9	1.95	0.00	16	2.0	X			154	3	2
SKP1_HUMAN	I	2.49	0.00	14	3.2	1.20	0.28	16	6.3	2.07	0.00	17	3.5		X		288	4	2
DPYD_HUMAN	I	2.50	0.00	14	4.8	1.26	0.23	13	10.7	1.65	0.01	11	6.5				168	4	2
PAPOA_HUMAN	I	2.54	0.00	13	6.9	1.50	0.09	14	8.7	1.45	0.04	14	9.4				73	2	2
NOP2_HUMAN	I	2.55	0.00	9	9.1	1.31	0.19	9	13.4	1.52	0.02	7	3.1			X	67	3	2
K2C1_HUMAN	I	2.67	0.00	31	5.3	3.22	0.00	31	3.7	0.89	0.32	31	12.6				353	9	4
RHOC_HUMAN	I	2.75	0.00	34	2.7	2.02	0.01	39	5.6	1.31	0.11	32	4.4	X			361	8	5
AT5F1_HUMAN	I	3.28	0.00	15	8.1	1.59	0.06	15	12.6	2.68	0.00	15	9.6				135	3	2
PPIF_HUMAN	I	3.59	0.00	22	3.6	1.40	0.14	23	5.3	2.12	0.00	23	5.2	X			292	7	3
KAP2_HUMAN	I	3.65	0.00	12	4.2	2.09	0.01	13	5.4	1.53	0.02	9	2.8				212	3	2
ALBU_HUMAN	I	4.50	0.00	8	2.9	3.71	0.00	9	3.6	1.28	0.13	11	5.8	X			60	3	2
AN32A_HUMAN	I	4.83	0.00	14	1.9	1.45	0.11	11	4.8	2.33	0.00	13	4.3			X	248	5	3
LASP1_HUMAN	I	6.11	0.00	10	2.4	1.36	0.16	13	8.6	4.10	0.00	9	1.4		X		75	2	2
RL8_HUMAN	II	0.19	0.00	9	51.7	0.28	0.00	11	40.0	0.93	0.38	6	0.9				158	6	3
HNRPF_HUMAN	II	0.26	0.00	18	47.2	0.37	0.00	19	40.4	0.64	0.05	23	11.1		X		529	7	3
NOC3L_HUMAN	II	0.26	0.00	16	50.9	0.40	0.00	17	36.5	0.65	0.06	16	10.5				209	3	2
SDA1_HUMAN	II	0.27	0.00	4	1.2	0.42	0.00	4	5.9	0.67	0.07	4	12.3				76	2	2
DDX27_HUMAN	II	0.29	0.00	38	45.1	0.50	0.01	35	24.6	0.60	0.03	32	7.7				467	7	7
TDIF2_HUMAN	II	0.29	0.00	6	47.9	0.38	0.00	6	22.5	0.76	0.16	8	9.2				160	4	2
UT14A_HUMAN	II	0.33	0.00	9	27.0	0.39	0.00	12	46.1	0.85	0.27	4	0.3				164	2	2
METH_HUMAN	II	0.36	0.01	9	20.4	0.47	0.01	12	32.8	0.88	0.31	12	10.2			X	212	6	3
DYR_HUMAN	II	0.37	0.01	22	43.2	0.46	0.00	25	36.2	0.87	0.30	17	4.0		X		255	4	4
TENS3_HUMAN	II	0.38	0.01	4	1.4	0.46	0.00	4	3.9	0.92	0.37	4	1.6				66	2	2
IMPA1_HUMAN	II	0.38	0.01	10	45.1	0.43	0.00	4	10.5	0.87	0.29	9	7.1				113	3	2
CLPX_HUMAN	II	0.39	0.01	18	43.5	0.51	0.01	17	32.9	0.66	0.07	16	6.9			X	188	3	2
CBS_HUMAN	II	0.39	0.01	19	44.7	0.52	0.01	23	29.4	0.60	0.03	26	20.9				230	6	5
K1C18_HUMAN	II	0.39	0.01	16	45.9	0.56	0.03	14	30.8	0.71	0.10	12	5.9	X		X	174	3	3
DDX18_HUMAN	II	0.39	0.01	26	46.2	0.60	0.04	25	22.5	0.82	0.22	22	5.9				316	4	4
K1C13_HUMAN	II	0.41	0.01	19	38.0	0.42	0.00	19	31.7	0.98	0.45	19	9.8				363	3	2
DHPR_HUMAN	II	0.43	0.02	15	17.7	0.48	0.01	16	26.4	1.01	0.49	10	7.3				251	3	3
SYDM_HUMAN	II	0.44	0.02	9	11.1	0.80	0.22	12	9.0	0.61	0.03	8	19.2				120	2	2
BPTF_HUMAN	II	0.45	0.02	3	4.1	0.65	0.07	7	11.6	0.53	0.01	9	19.8				77	2	2

GRHPR_HUMAN	II	0.45	0.02	15	29.4	0.62	0.05	13	17.6	0.86	0.28	8	10.6		X	140	2	2		
IF4A1_HUMAN	II	0.45	0.02	96	29.0	0.67	0.08	92	17.4	0.74	0.13	91	7.2			2000	26	9		
PAPS1_HUMAN	II	0.47	0.03	18	25.1	0.81	0.23	14	11.7	0.59	0.03	19	9.4			57	2	2		
ODR4_HUMAN	II	0.48	0.03	19	31.6	0.72	0.12	19	17.1	0.67	0.07	18	8.3			301	2	2		
PIMT_HUMAN	II	0.48	0.03	11	25.1	0.71	0.11	9	5.0	0.68	0.08	13	14.0			110	4	2		
MDN1_HUMAN	II	0.49	0.03	8	31.2	0.90	0.34	8	19.6	0.83	0.25	4	1.3			190	4	2		
TM214_HUMAN	II	0.49	0.04	14	44.3	0.66	0.08	12	31.1	0.65	0.06	14	27.8			183	5	2		
P5CR2_HUMAN	II	0.49	0.04	24	27.7	0.57	0.03	23	17.9	0.84	0.25	29	14.8			255	4	4		
PDCD5_HUMAN	II	0.50	0.04	13	42.9	0.62	0.05	11	37.9	0.74	0.14	11	15.6	X		65	3	2		
PDCD6_HUMAN	II	0.51	0.04	11	38.7	0.63	0.06	12	26.5	1.04	0.46	10	5.8	X		237	4	2		
STAT1_HUMAN	II	0.51	0.05	28	34.4	0.74	0.14	28	21.9	1.04	0.46	23	7.5	X		259	3	3		
STAT3_HUMAN	II	0.52	0.05	12	37.1	0.63	0.06	11	13.1	0.79	0.19	10	4.6			96	2	2		
CHD1L_HUMAN	II	0.52	0.05	13	37.2	0.51	0.01	12	14.3	0.81	0.21	15	12.9			104	3	3		
LIMS1_HUMAN	II	0.53	0.06	11	24.1	0.59	0.04	11	21.1	0.97	0.44	8	3.1			138	2	2		
NOSIP_HUMAN	II	0.54	0.06	11	29.7	0.56	0.03	12	38.3	0.82	0.23	11	6.5			70	2	2		
RFC1_HUMAN	II	0.55	0.06	16	22.2	0.60	0.04	18	17.4	0.90	0.34	17	6.1	X		307	3	2		
YTHD2_HUMAN	II	0.62	0.11	24	26.3	0.50	0.01	26	40.4	0.74	0.14	25	12.1			379	6	3		
CTR9_HUMAN	II	0.62	0.11	20	18.9	0.54	0.02	20	24.4	0.82	0.22	18	5.3			225	3	3		
CATD_HUMAN	II	0.68	0.17	34	18.2	0.61	0.05	36	15.9	0.81	0.21	38	7.4	X		554	8	5		
K2C4_HUMAN	III	0.33	0.00	7	33.2	0.24	0.00	7	67.3	1.32	0.10	3	0.6			313	6	2		
CCNB1_HUMAN	III	0.38	0.01	6	16.3	0.15	0.00	6	41.6	2.12	0.00	6	1.3	X		62	3	2		
TTC4_HUMAN	III	0.40	0.01	10	11.6	0.39	0.00	12	10.2	1.07	0.39	13	5.4			189	2	2		
BROX_HUMAN	III	0.43	0.02	13	21.0	0.39	0.00	14	27.0	1.04	0.45	13	4.5			296	2	2		
SNX3_HUMAN	III	0.46	0.03	18	35.5	0.41	0.00	14	25.3	1.11	0.32	19	3.4			253	3	3		
SGTA_HUMAN	III	0.48	0.03	26	23.8	0.47	0.01	24	18.0	1.16	0.25	25	7.6			183	4	4		
FACR1_HUMAN	III	0.50	0.04	25	31.0	0.44	0.00	25	26.5	1.07	0.40	26	8.3			362	4	3		
MALT1_HUMAN	III	0.54	0.06	10	19.4	0.36	0.00	7	27.1	1.12	0.32	8	7.0	X		118	2	2		
NUP50_HUMAN	III	0.54	0.06	19	25.6	0.41	0.00	18	24.0	1.34	0.09	19	3.8			92	4	3		
EPHA2_HUMAN	III	0.55	0.06	17	18.3	0.39	0.00	13	25.4	1.29	0.12	19	4.8	X		177	3	2		
NUFP2_HUMAN	III	0.55	0.07	25	31.8	0.40	0.00	22	27.9	1.27	0.13	27	6.6			303	3	3		
RLA1_HUMAN	III	0.56	0.07	38	34.7	0.55	0.02	37	29.1	1.40	0.06	40	8.2			1192	21	7		
RFA1_HUMAN	III	0.57	0.08	36	19.4	0.53	0.02	37	19.3	1.02	0.49	37	7.9	X		621	7	6		
H2AZ_HUMAN	III	0.59	0.09	18	24.0	0.50	0.01	21	14.4	1.11	0.32	28	5.5			454	4	3		
EFGM_HUMAN	III	0.59	0.09	37	17.1	0.56	0.03	35	17.8	1.02	0.48	33	3.7			466	5	4		

		Protein A Data												Protein B Data				
Gene ID	Sample Type	Mean	S.E.M.	N	Mean	S.E.M.	N	Mean	S.E.M.	N	Mean	S.E.M.	N	Mean	S.E.M.	N		
PDXD1_HUMAN	III	0.60	0.10	21	21.0	0.60	0.04	18	12.5	1.06	0.42	22	5.4		X	121	2	2
RL6_HUMAN	III	0.60	0.10	20	24.7	0.55	0.02	22	22.7	1.02	0.49	21	7.5		X	518	9	3
WDR36_HUMAN	III	0.61	0.10	23	31.8	0.52	0.01	19	36.5	1.03	0.47	12	6.5			309	5	3
EMAL4_HUMAN	III	0.62	0.11	15	26.0	0.58	0.03	13	28.3	1.07	0.39	14	6.1		X	221	3	2
RM11_HUMAN	III	0.64	0.13	16	27.3	0.45	0.00	14	27.9	1.14	0.28	15	8.5			190	2	2
VIME_HUMAN	III	0.64	0.13	53	26.8	0.57	0.03	54	25.9	1.00	0.48	52	6.4	X		750	12	6
H2A1_HUMAN	III	0.65	0.13	103	25.2	0.52	0.01	97	33.7	1.20	0.21	94	6.5			1715	26	15
AATC_HUMAN	III	0.66	0.14	14	25.7	0.39	0.00	14	40.6	1.45	0.04	7	7.9		X	227	5	2
MRE11_HUMAN	III	0.66	0.15	18	17.5	0.45	0.00	16	21.6	1.01	0.50	14	5.6			160	3	3
CENPF_HUMAN	III	0.70	0.18	37	12.4	0.26	0.00	29	41.6	2.88	0.00	24	2.0	X		429	14	10
RL11_HUMAN	III	0.75	0.23	58	20.5	0.56	0.03	52	17.8	1.16	0.25	50	5.2			803	11	7
RL12_HUMAN	III	0.76	0.23	26	16.1	0.52	0.02	24	20.4	0.99	0.46	23	4.2		X	248	7	3
FAKD5_HUMAN	III	0.78	0.25	15	13.2	0.54	0.02	17	26.2	1.21	0.19	9	3.0			217	4	3
NU153_HUMAN	III	0.78	0.26	20	9.3	0.55	0.02	26	23.3	1.13	0.30	24	5.3			431	5	4
RENT2_HUMAN	III	0.78	0.26	12	21.4	0.60	0.04	13	31.2	1.32	0.10	12	3.6			84	2	2
EI2BB_HUMAN	III	0.79	0.27	20	18.5	0.61	0.05	21	23.6	1.05	0.42	19	7.0	X		163	2	2
TOPK_HUMAN	III	0.81	0.29	30	13.8	0.58	0.03	35	28.8	1.35	0.08	30	5.5	X		567	9	5
NVL_HUMAN	III	0.83	0.31	4	1.0	0.54	0.02	9	21.7	1.27	0.14	10	7.5		X	95	2	2
AKAP1_HUMAN	III	0.84	0.33	16	28.6	0.60	0.04	23	29.4	1.13	0.30	22	6.9			215	4	3
TIF1B_HUMAN	III	0.86	0.34	18	12.7	0.46	0.01	17	13.6	1.62	0.01	19	4.5		X	329	4	3
UBQL2_HUMAN	III	0.87	0.35	18	6.8	0.64	0.06	19	12.3	1.43	0.05	19	5.0	X		272	2	2
DESP_HUMAN	III	0.87	0.35	24	22.8	0.60	0.04	29	27.9	1.06	0.41	31	9.6	X		434	7	3
K1967_HUMAN	III	0.90	0.38	32	13.3	0.58	0.03	33	21.8	1.07	0.39	28	5.4	X		251	5	5
PAK2_HUMAN	III	0.93	0.42	15	10.7	0.57	0.03	16	13.9	1.44	0.04	14	2.4	X		279	5	3
KIF11_HUMAN	III	1.08	0.42	16	18.8	0.85	0.28	17	22.4	1.91	0.00	22	4.8	X		156	3	3
RBM39_HUMAN	III	1.12	0.38	12	5.9	0.64	0.07	11	13.1	1.57	0.02	12	5.7			120	5	4
OXSR1_HUMAN	III	1.13	0.36	14	9.7	1.34	0.17	14	8.2	1.54	0.02	14	4.9			309	3	2
YBOX1_HUMAN	III	1.13	0.36	35	15.6	0.66	0.08	34	17.2	1.43	0.05	29	2.6		X	471	6	4
YMEL1_HUMAN	III	1.14	0.36	14	16.6	0.73	0.13	11	9.7	1.72	0.01	17	6.8			94	2	2
TTL12_HUMAN	III	1.14	0.36	24	9.9	0.86	0.28	26	16.5	1.60	0.01	19	2.7			123	3	3
CDK1_HUMAN	III	1.17	0.32	20	8.0	0.70	0.11	20	11.3	1.69	0.01	20	2.2	X	X	229	2	2
RS27A_HUMAN	III	1.17	0.32	94	9.8	0.75	0.16	103	18.4	1.76	0.00	101	5.3	X	X	1149	28	13
CKAP5_HUMAN	III	1.19	0.30	73	10.8	0.92	0.37	70	12.1	1.93	0.00	70	4.5		X	776	15	12
ACDSB_HUMAN	III	1.20	0.30	13	13.4	0.97	0.43	15	23.9	1.46	0.04	11	5.1			116	2	2

DDX5_HUMAN	III	1.22	0.28	52	10.9	0.77	0.18	50	17.0	2.07	0.00	46	3.8	X		X	768	12	8	
BT3L4_HUMAN	III	1.24	0.26	23	7.1	1.02	0.49	18	8.9	1.65	0.01	22	6.1				222	5	4	
IF2B3_HUMAN	III	1.25	0.26	22	12.6	0.83	0.24	22	15.7	1.83	0.00	21	3.3			X	185	4	4	
SH3G1_HUMAN	III	1.27	0.24	4	0.3	0.85	0.27	13	22.0	1.55	0.02	12	6.2				148	3	2	
HN1L_HUMAN	III	1.28	0.23	15	9.7	0.71	0.12	22	21.4	1.53	0.02	19	4.5			X	72	3	3	
KI67_HUMAN	III	1.28	0.23	263	9.6	0.90	0.34	274	12.0	1.50	0.03	254	4.4			X	2813	43	35	
NDC80_HUMAN	III	1.29	0.22	8	9.6	0.64	0.07	8	16.1	2.09	0.00	12	3.5		X		119	4	2	
CIP2A_HUMAN	III	1.31	0.21	15	13.9	1.01	0.48	15	14.1	1.66	0.01	10	4.5				142	3	2	
SBP1_HUMAN	III	1.32	0.20	13	14.2	1.14	0.35	14	11.7	1.52	0.02	9	7.3				113	3	2	
HMGN5_HUMAN	III	1.35	0.18	17	6.8	0.90	0.34	15	6.2	1.43	0.05	18	4.8				258	2	2	
MMSA_HUMAN	III	1.35	0.18	12	4.9	0.74	0.15	17	20.2	1.69	0.01	15	5.1				63	2	2	
UBE2O_HUMAN	III	1.36	0.18	7	11.3	0.79	0.20	10	17.5	1.78	0.00	8	5.6			X	132	2	2	
FLNC_HUMAN	III	1.36	0.18	23	11.3	1.05	0.47	23	9.0	1.75	0.00	24	9.3				849	10	3	
KHDR1_HUMAN	III	1.37	0.17	31	11.5	0.70	0.11	29	17.6	1.52	0.02	29	7.8		X	X	306	5	4	
DNJB1_HUMAN	III	1.43	0.14	26	10.6	0.68	0.09	27	11.4	1.57	0.02	26	4.2				263	3	3	
FKB1A_HUMAN	III	1.43	0.14	32	10.2	0.57	0.03	31	24.9	2.47	0.00	32	3.6				243	4	4	
CSTF3_HUMAN	III	1.44	0.13	16	2.2	0.90	0.34	21	10.3	1.96	0.00	21	4.7			X	188	4	3	
ATX2L_HUMAN	III	1.50	0.11	12	7.6	0.52	0.01	10	20.2	2.42	0.00	8	6.5				56	2	2	
HYOU1_HUMAN	III	1.52	0.10	35	11.2	1.16	0.34	29	14.1	3.12	0.00	26	4.6				227	6	5	
PCBP2_HUMAN	III	1.56	0.09	6	3.0	1.03	0.49	7	10.0	1.47	0.03	6	1.7			X	177	4	2	
ALDOC_HUMAN	III	1.62	0.07	13	5.8	1.14	0.35	17	9.4	1.44	0.04	12	1.2	X			294	4	2	
THIL_HUMAN	III	1.62	0.07	43	7.0	1.12	0.38	40	7.3	1.42	0.05	38	3.4				386	5	5	
TPX2_HUMAN	III	1.62	0.07	70	8.6	0.46	0.00	66	31.5	3.02	0.00	67	4.3	X	X		719	11	9	
SPTB2_HUMAN	III	1.62	0.07	119	6.8	1.10	0.40	127	12.1	1.49	0.03	117	6.2			X	1469	20	17	
GTPBA_HUMAN	III	1.63	0.07	13	12.3	1.06	0.46	12	10.6	1.84	0.00	10	9.9				70	2	2	
HNRPG_HUMAN	III	1.63	0.07	46	8.5	1.22	0.26	41	7.4	1.66	0.01	42	4.4			X	428	10	7	
MTPN_HUMAN	III	1.68	0.05	20	10.1	1.05	0.47	20	16.8	1.44	0.04	20	6.1				279	5	2	
RLA2_HUMAN	III	1.74	0.04	18	4.3	1.05	0.47	17	7.3	1.68	0.01	16	3.8			X	321	7	3	
COPG2_HUMAN	III	1.76	0.04	13	8.7	1.06	0.45	13	17.5	1.77	0.00	11	5.3				374	4	2	
SPF30_HUMAN	III	1.78	0.04	9	5.2	0.91	0.35	10	7.5	2.18	0.00	11	4.2	X			151	2	2	
RM44_HUMAN	III	1.83	0.03	11	6.9	1.10	0.41	13	10.1	1.74	0.00	11	4.5				127	2	2	
HSBP1_HUMAN	III	1.85	0.03	12	6.9	1.10	0.40	13	9.2	1.63	0.01	7	1.3				144	2	2	
IREB2_HUMAN	III	1.87	0.03	9	8.0	0.99	0.45	6	7.8	1.43	0.05	4	1.3				35	2	2	
TFP11_HUMAN	III	1.91	0.02	9	9.2	0.88	0.31	12	10.4	2.04	0.00	10	4.6				42	3	2	

UBE2N_HUMAN	III	1.91	0.02	14	5.4	1.01	0.49	18	7.8	1.99	0.00	17	3.7		X	175	3	2		
CNN2_HUMAN	III	1.92	0.02	12	5.8	1.14	0.36	7	4.1	2.76	0.00	9	5.2		X	445	7	2		
KIF2C_HUMAN	III	1.99	0.02	45	5.4	1.23	0.26	40	7.6	2.32	0.00	46	4.0		X	281	6	6		
ANLN_HUMAN	III	1.99	0.02	9	7.4	0.46	0.00	4	4.8	3.56	0.00	6	1.8		X	156	5	2		
UMPS_HUMAN	III	2.03	0.01	14	4.3	0.97	0.43	19	13.1	1.71	0.01	17	3.7			211	7	3		
IMA2_HUMAN	III	2.11	0.01	24	6.3	0.58	0.03	23	22.5	2.50	0.00	14	1.2		X	175	5	5		
NUSAP_HUMAN	III	2.14	0.01	21	6.0	0.71	0.12	24	13.3	3.32	0.00	20	2.7		X	269	3	3		
EXOS8_HUMAN	III	2.25	0.01	4	2.5	0.67	0.09	4	17.2	2.70	0.00	4	3.8			127	3	2		
UBE2S_HUMAN	III	2.26	0.01	14	7.7	0.87	0.30	13	12.1	2.98	0.00	14	4.6		X	131	3	2		
IMA3_HUMAN	III	3.18	0.00	11	3.8	1.06	0.45	11	6.3	3.08	0.00	13	3.5			154	2	2		
PSB2_HUMAN	III	5.65	0.00	4	0.2	1.01	0.47	4	2.0	6.16	0.00	4	0.4	X	X	84	3	2		
KAD2_HUMAN	IV	0.37	0.01	23	42.7	1.45	0.11	20	7.3	0.79	0.19	23	14.5			431	6	4		
S10A4_HUMAN	IV	0.43	0.02	52	25.7	0.95	0.40	44	10.2	0.62	0.04	46	12.9			892	20	10		
TOM34_HUMAN	IV	0.45	0.02	7	7.0	0.88	0.31	4	1.0	0.59	0.03	8	4.6			170	3	2		
CCD86_HUMAN	IV	0.46	0.03	7	24.0	1.00	0.46	8	16.1	0.47	0.00	6	9.2			110	2	2		
S30BP_HUMAN	IV	0.47	0.03	17	32.6	0.86	0.28	13	9.7	0.49	0.00	14	15.4	X		145	2	2		
PO210_HUMAN	IV	0.47	0.03	23	38.4	1.17	0.31	18	7.9	0.47	0.00	19	12.5		X	313	4	3		
PSD13_HUMAN	IV	0.48	0.03	16	35.3	0.96	0.41	14	10.7	0.56	0.02	15	10.0	X	X	195	3	2		
OAT_HUMAN	IV	0.49	0.04	20	25.4	1.16	0.33	19	12.4	0.70	0.09	18	9.1			282	3	3		
PYRG2_HUMAN	IV	0.53	0.06	14	20.3	0.88	0.31	11	13.5	0.61	0.04	14	10.0			281	4	2		
PYRG1_HUMAN	IV	0.54	0.06	24	21.7	1.01	0.48	30	14.4	0.54	0.01	28	17.2			371	4	4		
VPS35_HUMAN	IV	0.54	0.06	26	25.0	1.05	0.46	29	13.6	0.53	0.01	30	15.5	X		402	6	4		
TBB3_HUMAN	IV	0.55	0.07	21	10.9	0.87	0.30	22	7.9	0.62	0.04	22	10.4			1354	20	2		
TCPA_HUMAN	IV	0.55	0.07	53	14.2	1.04	0.48	56	10.6	0.55	0.02	49	8.2		X	710	9	6		
ARF3_HUMAN	IV	0.56	0.07	20	22.1	2.49	0.00	20	4.4	0.23	0.00	16	13.9			310	3	2		
RHOG_HUMAN	IV	0.56	0.07	6	14.9	0.94	0.39	7	12.8	0.55	0.02	8	11.2			214	4	2		
KNTC1_HUMAN	IV	0.58	0.08	18	19.7	1.00	0.47	19	16.5	0.52	0.01	18	25.6		X	167	4	4		
TBCD4_HUMAN	IV	0.58	0.09	12	16.3	1.02	0.49	15	10.8	0.48	0.00	15	25.3		X	189	4	2		
PSD7_HUMAN	IV	0.59	0.09	12	16.0	1.04	0.48	12	6.4	0.55	0.02	14	17.8	X	X	194	4	3		
DHX9_HUMAN	IV	0.59	0.09	27	22.2	1.53	0.08	30	6.3	0.63	0.05	27	10.7		X	587	8	5		
RS24_HUMAN	IV	0.61	0.10	17	26.9	1.33	0.18	16	12.5	0.31	0.00	17	38.3			270	6	3		
PSA2_HUMAN	IV	0.61	0.11	21	20.9	1.08	0.43	21	7.8	0.45	0.00	22	22.6	X	X	368	8	4		
MEP50_HUMAN	IV	0.61	0.11	15	16.1	1.20	0.29	11	4.8	0.57	0.02	13	5.8			77	2	2		
VAPA_HUMAN	IV	0.63	0.12	26	18.6	1.83	0.02	27	8.2	0.41	0.00	24	23.5	X		500	7	3		

RSSA_HUMAN	IV	0.63	0.12	22	14.3	2.00	0.01	27	5.9	0.32	0.00	28	35.3		X	396	10	5		
ATOX1_HUMAN	IV	0.64	0.13	14	15.9	1.14	0.35	17	9.8	0.61	0.04	15	3.9			178	3	2		
H4_HUMAN	IV	0.65	0.14	84	16.8	1.16	0.33	89	14.1	0.40	0.00	82	21.0		X	1507	24	12		
RO60_HUMAN	IV	0.65	0.14	13	17.3	1.06	0.46	13	7.5	0.61	0.03	16	8.5			160	2	2		
RL18A_HUMAN	IV	0.66	0.14	27	16.2	1.17	0.32	25	9.0	0.54	0.01	26	13.8		X	360	4	3		
HEAT1_HUMAN	IV	0.67	0.15	14	18.9	1.18	0.31	16	18.9	0.56	0.02	15	19.7			167	5	2		
ABCD3_HUMAN	IV	0.68	0.16	17	16.1	1.25	0.24	18	10.0	0.58	0.03	15	7.6			230	3	2		
RICTR_HUMAN	IV	0.68	0.16	31	16.9	4.01	0.00	32	2.2	0.20	0.00	30	36.2			257	8	5		
MK67I_HUMAN	IV	0.68	0.16	9	10.4	1.39	0.14	4	0.5	0.39	0.00	8	18.4			96	2	2		
RIF1_HUMAN	IV	0.68	0.17	24	21.5	1.48	0.10	23	9.8	0.51	0.01	24	21.2		X	155	4	3		
RPN1_HUMAN	IV	0.69	0.17	20	16.0	1.62	0.05	24	8.7	0.59	0.03	26	17.6			294	8	4		
F1142_HUMAN	IV	0.69	0.18	12	21.4	1.53	0.08	7	4.3	0.57	0.02	10	18.6			161	3	2		
CNBP_HUMAN	IV	0.73	0.21	18	16.9	1.01	0.48	16	9.4	0.62	0.04	16	9.4			158	2	2		
TBB8_HUMAN	IV	0.74	0.21	7	9.4	1.74	0.03	7	8.5	0.37	0.00	7	49.9			116	6	2		
IPO7_HUMAN	IV	0.74	0.22	17	12.5	1.73	0.03	16	4.9	0.42	0.00	18	21.7			171	2	2		
GLYM_HUMAN	IV	0.76	0.24	60	23.4	1.61	0.05	53	8.9	0.50	0.01	48	8.1			399	10	8		
REEP5_HUMAN	IV	0.76	0.24	13	27.5	1.26	0.23	13	14.0	0.50	0.01	9	7.8			297	3	2		
BZW2_HUMAN	IV	0.78	0.26	34	14.8	1.74	0.03	30	7.7	0.46	0.00	27	21.0			283	8	5		
VATH_HUMAN	IV	0.79	0.27	11	16.9	1.74	0.03	11	11.3	0.40	0.00	11	36.6			66	2	2		
KS6A1_HUMAN	IV	0.79	0.27	31	14.2	1.24	0.25	34	10.5	0.56	0.02	30	17.5	X		191	6	5		
PPGB_HUMAN	IV	0.80	0.28	10	14.4	1.25	0.24	8	7.3	0.56	0.02	7	5.4			128	3	2		
PUR6_HUMAN	IV	0.81	0.29	23	10.4	1.69	0.04	25	8.6	0.61	0.04	23	15.4		X	327	7	4		
ILEU_HUMAN	IV	0.82	0.30	27	17.2	1.50	0.09	26	8.8	0.42	0.00	19	11.3		X	288	7	4		
NDUS3_HUMAN	IV	0.82	0.30	17	13.3	1.48	0.10	19	13.8	0.57	0.02	17	25.5	X		226	2	2		
UB2E1_HUMAN	IV	0.83	0.31	12	18.8	1.64	0.05	8	6.4	0.67	0.07	6	3.8		X	197	2	2		
ABCE1_HUMAN	IV	0.84	0.32	46	15.6	1.26	0.23	46	11.8	0.59	0.03	42	15.3			535	8	6		
RPN2_HUMAN	IV	0.84	0.32	16	9.7	1.93	0.01	17	3.3	0.51	0.01	17	14.1			291	6	3		
ANXA6_HUMAN	IV	0.85	0.33	56	10.1	1.31	0.19	58	9.2	0.57	0.02	50	13.3			811	11	8		
TXTP_HUMAN	IV	0.87	0.35	24	13.4	2.54	0.00	24	4.9	0.75	0.15	24	12.3			243	3	3		
VP26A_HUMAN	IV	0.89	0.37	40	16.9	1.70	0.04	34	4.6	0.70	0.10	33	13.8			357	5	4		
CUL4B_HUMAN	IV	0.90	0.38	14	9.7	1.77	0.03	9	3.0	0.53	0.01	15	12.4		X	127	3	2		
TMED7_HUMAN	IV	0.90	0.38	32	18.1	1.57	0.06	32	8.9	0.48	0.00	31	22.3			259	3	3		
LRBA_HUMAN	IV	0.90	0.38	24	16.8	2.11	0.01	20	5.2	0.82	0.23	23	18.0		X	154	3	3		
XPOT_HUMAN	IV	0.90	0.39	7	5.6	3.64	0.00	4	0.2	0.29	0.00	12	44.6			158	3	2		

MPCP_HUMAN	IV	0.92	0.41	18	3.2	1.90	0.01	25	5.0	0.53	0.01	21	4.9				390	8	3
RAB8A_HUMAN	IV	0.93	0.41	17	9.1	1.07	0.44	12	4.8	0.52	0.01	14	11.8				463	10	3
NQO1_HUMAN	IV	0.93	0.42	40	11.5	1.55	0.07	39	8.3	0.54	0.01	36	14.7	X		X	461	5	4
MCM5_HUMAN	IV	1.00	0.48	39	9.7	1.42	0.12	36	6.2	0.64	0.05	45	11.1		X	X	337	7	6
CAN2_HUMAN	IV	1.04	0.47	6	4.1	2.80	0.00	8	3.6	0.32	0.00	4	6.9				91	3	2
NU205_HUMAN	IV	1.07	0.43	15	5.4	1.43	0.12	18	8.4	0.61	0.04	16	12.3				257	7	4
MPU1_HUMAN	IV	1.08	0.42	13	11.4	1.64	0.05	13	7.7	0.68	0.08	11	14.6				182	4	2
MBB1A_HUMAN	IV	1.09	0.41	31	7.3	2.23	0.00	39	5.7	0.47	0.00	46	25.2	X			378	8	6
CMBL_HUMAN	IV	1.10	0.40	23	17.0	2.26	0.00	25	7.0	0.56	0.02	18	18.9				180	5	3
CLH1_HUMAN	IV	1.12	0.38	85	11.0	1.70	0.04	91	7.4	0.81	0.21	84	10.4		X		1074	18	14
DHB11_HUMAN	IV	1.12	0.37	23	7.8	1.78	0.02	23	8.5	0.94	0.40	18	13.6				180	4	3
UBP24_HUMAN	IV	1.13	0.37	17	16.6	1.31	0.19	11	3.8	0.59	0.03	16	21.3				237	5	2
ANXA3_HUMAN	IV	1.13	0.36	29	15.5	2.11	0.00	28	7.6	0.97	0.43	27	6.7			X	230	3	3
XPO1_HUMAN	IV	1.15	0.34	31	13.4	1.64	0.05	36	7.3	0.64	0.05	36	20.2		X	X	558	11	8
CISY_HUMAN	IV	1.17	0.32	33	11.1	1.63	0.05	35	5.1	1.03	0.47	28	6.1			X	310	8	7
RL9_HUMAN	IV	1.18	0.32	29	8.1	2.28	0.00	30	4.8	0.57	0.02	26	10.6				728	10	3
RECQL_HUMAN	IV	1.19	0.30	31	7.1	1.80	0.02	26	5.4	0.85	0.26	28	11.1				436	10	5
FACE1_HUMAN	IV	1.22	0.28	18	9.3	1.87	0.02	14	3.3	0.65	0.06	15	11.6				169	3	3
AATM_HUMAN	IV	1.22	0.28	48	9.9	1.66	0.04	46	7.9	0.82	0.23	48	9.7			X	468	7	5
SP16H_HUMAN	IV	1.24	0.26	41	8.5	1.47	0.10	42	8.2	0.59	0.03	35	12.4			X	611	14	7
STMN1_HUMAN	IV	1.25	0.26	40	13.0	2.62	0.00	36	5.6	0.48	0.00	36	13.0		X	X	427	9	5
K0090_HUMAN	IV	1.25	0.25	11	5.1	1.66	0.04	11	8.0	0.80	0.20	4	0.7				158	3	2
USP9X_HUMAN	IV	1.26	0.25	11	9.4	1.64	0.05	10	3.4	0.77	0.16	12	13.4		X		129	2	2
EIF3M_HUMAN	IV	1.29	0.22	11	5.2	2.21	0.00	10	1.7	0.59	0.03	12	18.2				148	4	2
MCA3_HUMAN	IV	1.30	0.22	27	7.1	1.75	0.03	29	7.6	0.77	0.16	25	7.0	X			395	6	3
CUL4A_HUMAN	IV	1.31	0.21	16	7.8	1.64	0.05	14	5.8	0.82	0.23	14	9.5	X	X		213	6	2
GOGA3_HUMAN	IV	1.32	0.21	7	13.5	1.79	0.02	3	0.2	0.90	0.34	8	20.7			X	56	3	2
RRP44_HUMAN	IV	1.35	0.18	9	3.6	1.70	0.04	15	8.9	0.70	0.09	12	9.0				130	2	2
GSTM3_HUMAN	IV	1.41	0.15	4	0.2	1.90	0.01	6	5.1	0.71	0.10	6	6.1				50	2	2
IMDH1_HUMAN	IV	1.42	0.14	21	9.7	1.64	0.05	18	5.4	0.80	0.20	17	6.2				104	2	2
DYN2_HUMAN	IV	1.43	0.14	9	5.3	1.64	0.05	11	9.0	0.85	0.26	7	6.7	X	X	X	80	3	2
PCCA_HUMAN	IV	1.47	0.12	12	4.1	1.88	0.02	12	5.7	0.61	0.03	9	3.6				161	2	2
CPT1A_HUMAN	IV	1.53	0.10	7	1.6	2.25	0.00	7	1.8	0.77	0.17	8	4.8				129	3	2
GT251_HUMAN	IV	1.54	0.09	11	5.8	2.86	0.00	7	0.3	0.55	0.02	11	15.2				174	4	2

RS9_HUMAN	IV	1.55	0.09	9	3.9	2.13	0.00	16	4.9	0.70	0.09	14	5.1		X	99	3	2
FSCN1_HUMAN	IV	1.57	0.08	15	8.5	3.48	0.00	18	4.0	0.55	0.02	14	20.4		X	319	4	3
ATPG_HUMAN	IV	1.74	0.04	22	6.3	2.37	0.00	23	4.1	0.73	0.12	22	6.1		X	274	3	2
HTAI2_HUMAN	V	0.20	0.00	8	5.1	0.99	0.45	11	9.3	0.27	0.00	6	5.8	X		145	3	3
PGK2_HUMAN	V	0.22	0.00	11	70.9	0.74	0.14	13	24.0	0.39	0.00	6	4.7			328	13	2
WRIP1_HUMAN	V	0.23	0.00	10	95.1	0.76	0.17	10	39.6	0.32	0.00	8	23.8			122	2	2
BMS1_HUMAN	V	0.23	0.00	6	40.0	0.53	0.02	6	29.7	0.39	0.00	4	4.8			231	3	2
RBM28_HUMAN	V	0.24	0.00	18	15.0	0.52	0.01	22	15.5	0.46	0.00	15	7.0			163	3	3
S10AG_HUMAN	V	0.24	0.00	6	60.1	0.78	0.19	9	15.2	0.27	0.00	9	23.1			406	6	2
NGDN_HUMAN	V	0.27	0.00	9	28.2	0.51	0.01	11	26.8	0.55	0.01	11	18.0			232	3	2
RRP5_HUMAN	V	0.27	0.00	36	67.0	0.74	0.14	36	26.4	0.60	0.03	29	8.4			851	9	9
MAK16_HUMAN	V	0.28	0.00	16	31.7	0.49	0.01	19	26.9	0.54	0.01	20	13.4			180	2	2
RPR1B_HUMAN	V	0.31	0.00	4	37.5	1.56	0.07	4	6.4	0.25	0.00	4	31.2			156	3	2
RFA3_HUMAN	V	0.31	0.00	13	33.9	0.56	0.03	14	22.0	0.45	0.00	13	16.6	X		404	5	2
CNOTA_HUMAN	V	0.33	0.00	8	46.8	0.77	0.18	8	11.1	0.57	0.02	8	27.4			196	2	2
LGUL_HUMAN	V	0.36	0.01	13	31.7	1.00	0.47	14	13.1	0.37	0.00	10	11.6	X		327	4	2
RPF2_HUMAN	V	0.36	0.01	8	39.0	0.69	0.10	8	24.3	0.45	0.00	6	2.3			213	4	3
BRX1_HUMAN	V	0.39	0.01	30	30.5	1.15	0.34	32	12.6	0.35	0.00	26	13.2			227	4	4
RL37A_HUMAN	V	0.40	0.01	29	17.5	0.93	0.37	28	13.2	0.42	0.00	24	18.5			606	3	3
PURA2_HUMAN	V	0.40	0.01	17	43.9	1.58	0.06	16	9.2	0.28	0.00	17	41.1		X	96	3	2
VAT1_HUMAN	V	0.41	0.01	23	34.0	1.02	0.49	21	16.7	0.33	0.00	20	23.0			357	3	3
BAF_HUMAN	V	0.41	0.01	21	25.2	1.43	0.12	19	6.3	0.31	0.00	20	24.5		X	314	6	2
GNA1_HUMAN	V	0.43	0.02	10	55.9	1.49	0.09	10	14.5	0.32	0.00	9	7.3			359	4	3
CHRC1_HUMAN	V	0.45	0.02	10	36.0	0.71	0.12	10	22.0	0.25	0.00	10	23.6			151	3	3
GLYC_HUMAN	V	0.49	0.04	9	41.8	0.82	0.23	15	15.6	0.32	0.00	15	30.6			200	3	3
BAZ1B_HUMAN	no	0.52	0.05	22	18.2	0.73	0.14	26	19.1	0.68	0.08	27	15.1			334	4	4
RL7_HUMAN	no	0.53	0.06	26	28.0	1.13	0.36	28	13.5	0.68	0.08	33	10.0		X	618	10	5
SPS2L_HUMAN	no	0.53	0.06	32	17.5	1.08	0.42	32	8.6	0.65	0.06	37	10.6			522	5	4
ACSL3_HUMAN	no	0.54	0.06	26	28.3	1.21	0.28	26	12.2	0.91	0.36	19	3.0			381	5	3
FLOT1_HUMAN	no	0.55	0.06	16	32.2	0.83	0.25	16	23.2	0.72	0.11	16	20.0			195	2	2
DHB4_HUMAN	no	0.55	0.06	24	20.6	1.45	0.11	27	9.4	0.89	0.32	26	7.9			485	7	5
KLDC4_HUMAN	no	0.55	0.07	12	30.1	0.97	0.43	9	9.2	0.70	0.09	11	11.1			77	3	2
VPS53_HUMAN	no	0.55	0.07	13	26.3	0.68	0.10	14	19.2	0.72	0.11	14	13.7			144	2	2
CL023_HUMAN	no	0.55	0.07	46	31.9	0.84	0.25	38	22.3	0.92	0.36	44	13.0			548	5	5

		0.56	0.07	30	20.1	0.68	0.09	35	15.6	0.98	0.46	34	7.5	X	X	X	660	7	4
UGDH_HUMAN	no	0.56	0.07	22	15.9	0.69	0.10	24	16.7	0.80	0.20	23	14.9				242	4	4
MET_HUMAN	no	0.56	0.07	16	14.1	0.93	0.37	15	7.5	0.66	0.06	19	9.9				374	3	2
PP1B_HUMAN	no	0.57	0.08	19	19.5	0.81	0.22	18	9.6	0.92	0.36	16	5.0	X			272	5	3
NDUS1_HUMAN	no	0.57	0.08	36	20.3	0.66	0.08	34	16.0	0.83	0.24	32	6.5				380	7	4
AL3A1_HUMAN	no	0.57	0.08	20	27.7	0.90	0.34	20	12.8	0.69	0.09	14	7.5		X		524	5	3
ANM5_HUMAN	no	0.57	0.08	27	29.9	0.79	0.20	27	20.1	0.96	0.42	24	4.7				56	3	2
NFS1_HUMAN	no	0.58	0.08	8	3.7	0.94	0.39	8	14.3	0.78	0.18	10	10.9				210	3	3
QKI_HUMAN	no	0.58	0.08	26	16.2	0.87	0.30	30	14.9	0.66	0.07	30	11.1				191	5	3
RRP12_HUMAN	no	0.60	0.10	22	13.5	0.72	0.13	24	14.9	0.70	0.09	14	4.4				588	8	3
HP1B3_HUMAN	no	0.60	0.10	38	24.0	0.69	0.10	39	19.3	0.95	0.41	38	5.9				395	12	3
ATP5L_HUMAN	no	0.60	0.10	155	17.8	0.65	0.07	164	14.4	0.85	0.26	157	5.5				336	5	4
LC7L2_HUMAN	no	0.60	0.10	25	32.0	0.73	0.14	27	23.7	0.90	0.34	23	8.3				491	7	6
EIF2A_HUMAN	no	0.60	0.10	19	15.1	0.69	0.10	16	10.0	0.92	0.37	13	1.7				2485	34	21
H12_HUMAN	no	0.60	0.10	22	22.8	1.01	0.48	24	13.1	0.77	0.17	21	10.8				105	4	2
NSD2_HUMAN	no	0.60	0.10	22	29.3	0.78	0.19	21	23.6	0.68	0.08	22	14.1				719	15	4
RS7_HUMAN	no	0.61	0.10	58	20.9	0.82	0.23	49	9.9	0.67	0.07	56	9.6				285	4	2
SNX2_HUMAN	no	0.61	0.11	19	17.1	0.69	0.10	16	10.0	0.92	0.37	13	1.7				143	2	2
MTA2_HUMAN	no	0.62	0.11	7	5.1	0.92	0.36	8	4.1	0.68	0.08	4	0.3				85	2	2
DDB1_HUMAN	no	0.62	0.11	20	20.5	0.75	0.15	20	17.9	0.80	0.20	22	7.6				655	12	7
PARK7_HUMAN	no	0.62	0.11	34	18.4	0.80	0.21	27	13.9	0.89	0.32	21	5.4	X			510	7	7
TPD52_HUMAN	no	0.62	0.12	12	12.2	0.75	0.16	14	12.2	0.78	0.18	7	1.3				669	7	3
DDX23_HUMAN	no	0.63	0.12	16	12.0	0.89	0.32	16	10.6	0.70	0.10	17	10.2				269	4	3
SERC_HUMAN	no	0.63	0.12	50	20.7	0.78	0.19	48	17.0	0.69	0.09	42	12.9				816	21	7
WDR75_HUMAN	no	0.63	0.12	17	22.0	0.76	0.17	8	13.0	0.75	0.15	4	3.2				92	2	2
CSN5_HUMAN	no	0.63	0.12	11	28.9	0.70	0.11	8	6.9	0.85	0.26	9	4.7	X			165	6	2
NIBL1_HUMAN	no	0.63	0.12	9	8.2	0.75	0.16	11	15.9	0.88	0.31	8	2.7	X			197	4	2
DD19A_HUMAN	no	0.63	0.12	60	17.0	0.74	0.15	60	13.0	0.96	0.43	66	9.9				103	2	2
ADHX_HUMAN	no	0.63	0.12	49	17.8	0.70	0.11	44	14.8	0.94	0.40	44	6.7				938	13	10
EPN4_HUMAN	no	0.64	0.13	12	32.1	0.75	0.16	12	25.9	0.88	0.30	12	5.5	X			510	5	5
BAG1_HUMAN	no	0.64	0.13	35	16.0	0.90	0.34	37	14.0	0.65	0.06	35	13.7	X			127	2	2
PSMD3_HUMAN	no	0.64	0.13	14	7.8	0.84	0.26	15	7.7	0.86	0.29	10	0.8	X			66	2	2
CALR_HUMAN	no	0.65	0.13	28.9	0.70	0.11	8	6.9	0.85	0.26	9	4.7	X	X		534	10	4	
GFPT1_HUMAN	no	0.65	0.13	11	16.0	0.90	0.34	37	14.0	0.65	0.06	35	13.7	X	X		308	3	2

RL10A_HUMAN	no	0.65	0.13	34	17.1	0.87	0.30	32	11.1	0.98	0.45	44	8.3		X		620	12	6	
PRS7_HUMAN	no	0.65	0.13	31	18.8	0.97	0.43	36	13.9	1.19	0.22	34	5.7	X	X		267	8	6	
PSB1_HUMAN	no	0.65	0.13	34	15.8	0.64	0.07	38	19.3	1.13	0.30	31	4.6	X	X		377	5	4	
NUP98_HUMAN	no	0.65	0.14	30	24.0	0.86	0.29	29	21.2	0.71	0.11	25	8.8		X		201	3	3	
GAK_HUMAN	no	0.65	0.14	14	28.8	0.64	0.06	12	21.4	0.90	0.34	12	5.9				122	2	2	
RS2_HUMAN	no	0.65	0.14	102	15.6	1.28	0.21	115	9.2	0.73	0.12	116	12.7			X	1401	20	16	
LRRF1_HUMAN	no	0.66	0.14	31	18.5	1.01	0.48	30	9.3	0.88	0.31	32	6.4			X	384	4	3	
ADNP_HUMAN	no	0.66	0.14	10	11.5	0.82	0.23	10	12.7	1.08	0.37	9	6.6	X			102	3	3	
TEAD1_HUMAN	no	0.66	0.14	8	26.8	0.78	0.18	7	10.1	0.80	0.20	7	3.3				57	2	2	
FA49B_HUMAN	no	0.66	0.14	19	28.4	0.95	0.41	19	17.9	0.68	0.08	19	12.2				180	3	2	
K0664_HUMAN	no	0.66	0.15	13	14.2	0.73	0.14	9	4.1	1.20	0.20	15	4.8				237	5	3	
GCSP_HUMAN	no	0.66	0.15	4	2.9	0.84	0.26	4	18.2	0.77	0.16	7	25.7				133	3	2	
RS4X_HUMAN	no	0.66	0.15	47	15.9	0.81	0.22	45	11.4	1.03	0.47	40	4.8		X		659	11	7	
MYO1E_HUMAN	no	0.66	0.15	58	22.9	0.67	0.09	46	20.0	1.02	0.48	55	6.7				640	9	8	
COPG_HUMAN	no	0.66	0.15	16	18.0	1.11	0.39	17	8.4	0.86	0.29	15	8.0				522	8	4	
RL18_HUMAN	no	0.66	0.15	28	19.4	0.66	0.08	18	6.5	1.05	0.43	29	3.8			X	391	4	3	
CDC73_HUMAN	no	0.66	0.15	22	18.6	0.86	0.28	22	14.9	0.75	0.14	20	16.5	X	X		232	7	3	
CD043_HUMAN	no	0.66	0.15	9	12.1	0.72	0.12	8	9.5	1.00	0.48	7	1.2				30	2	2	
VIGLN_HUMAN	no	0.67	0.15	38	26.5	0.64	0.07	39	22.2	1.06	0.41	41	6.7				325	7	6	
TFR1_HUMAN	no	0.67	0.15	66	18.0	0.83	0.25	65	17.6	0.90	0.34	69	8.8				827	14	10	
ECM29_HUMAN	no	0.67	0.15	35	17.3	0.96	0.42	37	19.5	0.67	0.07	34	11.8				455	7	4	
ARC1B_HUMAN	no	0.67	0.15	24	22.2	0.96	0.42	22	13.8	0.89	0.33	20	9.6				332	6	4	
ATG3_HUMAN	no	0.67	0.15	18	22.1	0.62	0.05	18	17.2	1.11	0.32	18	5.8	X		X	462	10	2	
SYAP1_HUMAN	no	0.67	0.15	38	15.3	0.80	0.21	35	11.3	1.04	0.44	36	5.4				474	7	5	
CEBPZ_HUMAN	no	0.67	0.16	33	21.3	0.85	0.27	34	13.4	0.86	0.28	31	6.6				473	5	4	
NMD3_HUMAN	no	0.67	0.16	14	7.8	0.84	0.25	6	0.3	0.75	0.15	8	1.7				178	3	3	
F10A1_HUMAN	no	0.67	0.16	29	14.9	0.71	0.12	31	14.8	1.00	0.48	24	2.4			X	560	5	3	
IF5_HUMAN	no	0.67	0.16	19	19.6	0.80	0.21	16	19.3	0.84	0.26	18	18.9				201	4	3	
SMC3_HUMAN	no	0.67	0.16	45	24.9	0.87	0.30	45	21.1	0.85	0.27	42	7.0	X			463	7	6	
RCOR3_HUMAN	no	0.67	0.16	10	27.0	1.06	0.45	13	15.4	0.74	0.13	12	8.9				130	2	2	
ATX10_HUMAN	no	0.67	0.16	10	5.4	0.77	0.17	12	15.1	0.97	0.44	15	8.1	X			103	2	2	
RPB1_HUMAN	no	0.68	0.16	19	20.7	0.79	0.20	17	17.1	0.93	0.39	13	6.5				128	3	2	
LPPRC_HUMAN	no	0.68	0.16	241	19.4	0.85	0.27	232	14.6	0.85	0.27	231	6.9		X		2541	39	31	
CBWD1_HUMAN	no	0.68	0.16	13	13.9	0.74	0.14	13	11.4	0.95	0.41	15	7.4				187	2	2	

		0.68	0.16	18	14.3	1.07	0.44	18	10.4	0.82	0.22	26	12.1			136	3	3
COPB2_HUMAN	no	0.68	0.16	18	14.3	1.07	0.44	18	10.4	0.82	0.22	26	12.1		X	267	6	4
NOG1_HUMAN	no	0.68	0.17	31	31.4	1.23	0.26	32	18.1	0.87	0.30	30	10.6		X	104	2	2
HELLS_HUMAN	no	0.69	0.17	7	11.9	0.64	0.06	10	14.0	1.01	0.50	7	4.0	X	X	615	10	7
SERA_HUMAN	no	0.69	0.17	21	5.5	0.83	0.25	35	13.0	1.05	0.43	31	11.7		X	269	4	3
NUDT9_HUMAN	no	0.69	0.17	28	14.1	0.72	0.13	25	15.3	0.99	0.47	31	16.0		X	122	4	2
EI2BA_HUMAN	no	0.69	0.17	10	9.4	0.84	0.26	6	8.7	0.71	0.10	10	4.6			384	8	7
CND1_HUMAN	no	0.69	0.17	39	23.7	1.10	0.40	34	15.2	0.84	0.25	36	12.6	X	X	491	5	4
TRI25_HUMAN	no	0.69	0.17	38	18.4	0.87	0.30	34	12.1	1.05	0.42	37	4.9			140	3	2
HAT1_HUMAN	no	0.69	0.17	14	17.7	0.83	0.25	9	16.1	0.98	0.46	13	4.1			2362	32	26
TLN1_HUMAN	no	0.69	0.18	184	17.7	0.66	0.08	187	18.9	1.01	0.49	182	7.2			74	2	2
FXR1_HUMAN	no	0.70	0.18	8	8.3	0.72	0.12	11	16.9	0.98	0.45	8	5.1	X		411	4	2
AL1B1_HUMAN	no	0.70	0.18	18	16.3	0.65	0.07	16	10.7	1.08	0.38	12	8.3			605	6	5
COPB_HUMAN	no	0.70	0.18	40	18.7	0.95	0.41	41	13.6	0.83	0.25	38	8.0		X	338	2	2
TIGAR_HUMAN	no	0.70	0.18	18	14.3	0.64	0.06	19	17.4	1.18	0.23	18	6.1			287	4	3
CELF1_HUMAN	no	0.70	0.18	19	18.6	0.71	0.12	16	17.6	0.96	0.42	17	6.4			306	4	4
MRP_HUMAN	no	0.70	0.18	23	19.0	0.72	0.13	26	17.4	1.01	0.49	19	2.0		X	662	5	5
HNRDL_HUMAN	no	0.71	0.19	39	16.2	0.97	0.43	31	9.3	0.99	0.46	41	7.3			8616	119	90
AHNK_HUMAN	no	0.71	0.19	714	17.5	0.65	0.07	685	18.5	1.15	0.27	698	6.0			434	6	5
RS8_HUMAN	no	0.71	0.19	52	20.0	0.86	0.28	50	13.7	0.97	0.44	50	6.9			246	4	4
MCM4_HUMAN	no	0.71	0.19	24	18.0	0.99	0.45	27	8.5	1.05	0.43	27	6.4	X	X	264	4	2
GMFB_HUMAN	no	0.72	0.20	16	13.7	0.90	0.33	17	10.5	0.84	0.25	17	8.5			885	13	6
GSTP1_HUMAN	no	0.72	0.20	45	14.7	0.74	0.14	51	14.6	1.11	0.32	52	7.5	X	X	207	5	4
TCPG_HUMAN	no	0.72	0.20	23	20.6	0.96	0.41	21	13.5	0.74	0.13	16	7.9			118	2	2
NDUF4_HUMAN	no	0.72	0.20	19	17.0	1.43	0.12	16	9.8	0.69	0.08	21	8.2			288	6	4
SMYD2_HUMAN	no	0.72	0.20	15	16.6	0.82	0.24	11	13.9	0.92	0.37	15	7.4			366	6	6
DEST_HUMAN	no	0.72	0.20	24	14.7	0.97	0.43	20	9.9	0.81	0.21	23	12.8			772	12	11
DNMT1_HUMAN	no	0.72	0.20	36	20.6	0.87	0.30	32	16.6	0.83	0.24	37	6.6			53	3	2
PUR2_HUMAN	no	0.72	0.20	69	14.0	0.89	0.32	72	15.1	0.94	0.40	70	8.9		X	256	2	2
UBP15_HUMAN	no	0.73	0.20	11	17.1	0.76	0.16	14	14.2	0.93	0.39	16	6.7			298	3	3
NUDC2_HUMAN	no	0.73	0.21	24	23.6	0.66	0.08	24	30.6	1.09	0.36	21	9.1			877	7	2
CD123_HUMAN	no	0.73	0.21	17	7.8	0.71	0.11	18	13.6	1.13	0.30	16	4.9	X	X	156	2	2
IF4A2_HUMAN	no	0.73	0.21	21	13.2	1.03	0.49	23	10.5	0.72	0.11	22	8.2			393	6	4
K1C19_HUMAN	no	0.73	0.21	14	19.1	0.81	0.22	17	14.6	0.99	0.46	19	2.7		X			
FUS_HUMAN	no	0.73	0.21	37	16.2	0.67	0.08	37	17.2	1.27	0.13	32	2.9	X	X			

XPO2_HUMAN	no	0.73	0.21	72	14.5	1.22	0.27	76	10.4	0.83	0.24	70	6.8	X	X	X	1904	38	11
PSMD5_HUMAN	no	0.74	0.21	23	18.6	0.83	0.24	22	17.7	0.75	0.14	19	6.6	X	X	X	268	2	2
IF5A1_HUMAN	no	0.74	0.21	74	21.4	1.12	0.38	71	11.7	0.65	0.06	58	6.0	X	X	X	2738	34	10
PPCEL_HUMAN	no	0.74	0.22	12	16.1	0.79	0.20	14	12.6	0.99	0.47	14	3.8				143	2	2
HSDL2_HUMAN	no	0.74	0.22	49	19.1	0.80	0.22	50	13.8	0.94	0.40	49	6.9				459	6	5
ABHEB_HUMAN	no	0.74	0.22	19	17.2	0.64	0.07	20	29.2	1.10	0.34	14	4.3				198	2	2
RAB18_HUMAN	no	0.74	0.22	19	23.4	0.85	0.27	12	23.3	0.89	0.32	16	7.7				153	4	2
CAPZB_HUMAN	no	0.74	0.22	25	17.9	0.79	0.20	24	16.3	1.00	0.48	26	2.9		X		281	6	3
PAF1_HUMAN	no	0.74	0.22	18	18.0	0.62	0.05	20	21.4	1.25	0.16	15	3.2		X		246	2	2
AHSA1_HUMAN	no	0.74	0.22	29	13.9	0.86	0.28	27	9.7	0.89	0.32	30	7.8				428	4	3
SEPT7_HUMAN	no	0.74	0.22	40	15.5	0.72	0.13	42	13.9	1.05	0.43	36	4.9		X		383	4	4
GNL3_HUMAN	no	0.75	0.22	13	24.3	1.12	0.38	12	9.1	0.71	0.10	13	10.3				146	2	2
RS23_HUMAN	no	0.75	0.22	43	19.8	0.71	0.11	45	17.1	0.84	0.25	44	7.7			X	706	9	7
IF2B_HUMAN	no	0.75	0.23	20	14.0	0.80	0.21	19	10.1	0.97	0.43	17	5.0				363	3	2
RBP2_HUMAN	no	0.75	0.23	64	22.6	0.69	0.10	63	23.1	1.01	0.49	52	5.9		X	X	831	14	10
SUCB1_HUMAN	no	0.75	0.23	18	25.2	1.14	0.35	19	15.4	0.72	0.11	18	7.2				100	2	2
PTRF_HUMAN	no	0.75	0.23	15	12.8	0.90	0.33	15	10.4	0.83	0.23	13	5.9				131	2	2
PTH2_HUMAN	no	0.75	0.23	14	8.4	0.90	0.33	15	13.5	0.81	0.21	15	16.7	X			107	3	2
RIR1_HUMAN	no	0.75	0.23	50	11.4	1.23	0.26	54	9.2	0.64	0.05	52	8.2				604	10	7
NDUS2_HUMAN	no	0.76	0.24	7	1.6	0.67	0.08	13	14.4	1.04	0.45	9	7.0				164	3	2
ACTG_HUMAN	no	0.76	0.24	202	15.6	0.86	0.29	189	13.3	1.02	0.49	199	9.1				3358	57	27
ZRAB2_HUMAN	no	0.76	0.24	14	20.9	1.08	0.42	14	10.7	0.83	0.24	4	0.4				128	2	2
AMPB_HUMAN	no	0.76	0.24	42	19.7	1.54	0.07	41	9.2	0.75	0.14	40	16.2				488	7	6
EIF3I_HUMAN	no	0.76	0.24	42	14.2	0.76	0.17	40	11.5	0.97	0.44	39	3.9		X		443	7	6
NACA_HUMAN	no	0.76	0.24	40	17.0	0.72	0.13	39	17.1	1.19	0.22	33	3.7		X		921	12	4
PLIN4_HUMAN	no	0.76	0.24	25	17.5	0.78	0.19	25	15.7	0.96	0.42	24	6.3				253	3	3
K0020_HUMAN	no	0.76	0.24	22	12.7	0.79	0.20	28	19.6	1.10	0.34	20	4.1				313	5	4
HNRPM_HUMAN	no	0.76	0.24	64	16.4	0.83	0.25	65	18.5	0.97	0.43	62	8.0			X	839	10	8
IPO9_HUMAN	no	0.77	0.24	11	16.4	1.22	0.26	11	9.2	0.70	0.10	11	5.2				302	7	2
ITB1_HUMAN	no	0.77	0.25	30	13.2	0.86	0.28	28	11.5	1.07	0.40	30	6.6	X	X		414	6	4
ERF1_HUMAN	no	0.77	0.25	40	18.8	0.98	0.44	48	14.3	0.67	0.07	46	13.6				545	9	8
PRS8_HUMAN	no	0.77	0.25	37	17.0	0.77	0.17	38	16.3	1.06	0.42	34	5.8	X	X		688	10	5
LAP2A_HUMAN	no	0.77	0.25	40	16.0	0.72	0.12	37	17.8	1.25	0.15	37	4.0			X	398	4	4
RBM4B_HUMAN	no	0.77	0.25	28	20.9	0.86	0.28	25	11.9	1.11	0.33	26	5.0				260	5	5

SAHH2_HUMAN	no	0.77	0.25	25	13.6	0.97	0.43	27	9.9	0.78	0.18	16	5.9		X	234	5	3		
NAT10_HUMAN	no	0.77	0.25	27	22.8	0.68	0.09	27	26.8	1.23	0.17	17	3.3		X	404	6	3		
PRDX2_HUMAN	no	0.77	0.25	20	7.7	0.78	0.19	21	5.9	1.12	0.32	21	3.5	X	X	300	6	4		
ERLN2_HUMAN	no	0.78	0.25	30	13.5	1.08	0.43	24	8.1	0.71	0.11	27	7.6	X	X	588	7	3		
GSTK1_HUMAN	no	0.78	0.25	22	21.7	0.65	0.07	22	20.3	1.18	0.23	22	8.2			401	6	2		
TOP2B_HUMAN	no	0.78	0.26	24	12.2	1.37	0.15	29	11.2	0.64	0.05	26	17.3		X	590	10	4		
NUDC_HUMAN	no	0.78	0.26	8	3.4	0.82	0.23	16	8.6	0.96	0.43	16	4.0		X	X	76	2	2	
KDM3B_HUMAN	no	0.78	0.26	26	11.7	0.64	0.07	20	17.4	1.08	0.38	25	5.9		X	389	4	4		
RS12_HUMAN	no	0.79	0.26	36	16.8	0.67	0.09	38	19.8	1.24	0.16	33	4.7			1944	31	5		
TCEA1_HUMAN	no	0.79	0.26	15	10.6	0.76	0.16	16	5.9	1.13	0.29	20	5.9			249	2	2		
DOT1L_HUMAN	no	0.79	0.26	6	24.9	1.26	0.23	6	14.9	0.82	0.23	7	17.0			89	2	2		
ETFA_HUMAN	no	0.79	0.27	59	16.0	0.99	0.45	59	12.3	0.81	0.22	53	7.9			557	7	6		
ZWILC_HUMAN	no	0.79	0.27	16	22.2	0.88	0.32	15	20.2	0.81	0.21	12	4.2	X		171	3	2		
CS010_HUMAN	no	0.79	0.27	11	11.6	1.07	0.44	11	8.6	0.84	0.25	9	2.7			133	3	2		
DHRS3_HUMAN	no	0.79	0.27	9	5.6	1.09	0.42	15	15.1	0.70	0.09	15	18.5			211	3	3		
IPO4_HUMAN	no	0.79	0.27	29	13.9	1.21	0.28	25	7.6	0.76	0.16	27	12.5			460	5	4		
UCHL3_HUMAN	no	0.79	0.27	26	18.9	1.04	0.48	20	8.6	0.86	0.28	17	10.2			231	3	3		
GPD1L_HUMAN	no	0.79	0.27	18	10.9	0.88	0.31	21	9.5	0.90	0.34	19	6.0			159	2	2		
RPP30_HUMAN	no	0.80	0.27	10	6.6	0.89	0.33	11	14.0	0.97	0.44	12	3.8			74	2	2		
SRC8_HUMAN	no	0.80	0.27	44	16.5	0.70	0.11	39	15.6	1.22	0.19	42	11.7	X	X	X	654	11	6	
1433E_HUMAN	no	0.80	0.28	52	15.9	1.05	0.47	54	12.3	0.92	0.37	45	5.8	X	X	X	1336	16	5	
P5CS_HUMAN	no	0.80	0.28	42	18.3	0.95	0.40	42	15.8	1.07	0.39	35	5.0			297	6	4		
UGPA_HUMAN	no	0.80	0.28	11	14.3	1.02	0.49	11	8.7	0.89	0.32	13	4.2			209	4	2		
RL7A_HUMAN	no	0.81	0.28	47	14.0	1.08	0.43	49	10.6	0.97	0.45	43	4.5			687	10	5		
UTP15_HUMAN	no	0.81	0.28	14	15.9	1.06	0.45	11	14.7	0.84	0.25	15	9.5			158	4	2		
SMC4_HUMAN	no	0.81	0.29	54	17.7	0.84	0.26	54	14.6	1.10	0.35	56	5.3	X	X	X	568	9	8	
BRE1B_HUMAN	no	0.81	0.29	19	25.1	0.62	0.05	17	15.8	1.04	0.44	17	11.4			255	2	2		
MBD2_HUMAN	no	0.81	0.29	12	19.8	1.07	0.44	7	5.3	0.84	0.25	8	26.1			80	2	2		
AL9A1_HUMAN	no	0.81	0.29	48	15.8	0.88	0.31	42	13.9	1.23	0.18	51	9.4			449	7	6		
DYHC1_HUMAN	no	0.81	0.29	156	13.9	1.13	0.37	152	9.7	0.81	0.22	147	11.8	X	X	X	1850	24	22	
CTND1_HUMAN	no	0.81	0.29	11	18.6	0.68	0.09	11	18.4	1.05	0.43	12	4.7			192	4	2		
NUMA1_HUMAN	no	0.81	0.29	39	18.9	0.70	0.11	37	19.7	1.04	0.45	35	6.2	X	X	X	469	6	4	
EZRI_HUMAN	no	0.81	0.29	44	12.9	0.98	0.44	44	12.8	0.94	0.39	39	2.9			804	13	6		
KINH_HUMAN	no	0.81	0.29	46	17.6	0.79	0.20	34	15.5	1.01	0.49	39	7.8			339	7	6		

ABLM1_HUMAN	no	0.81	0.29	9	19.6	0.65	0.07	9	21.4	1.09	0.36	4	1.1			X		274	5	2
NH2L1_HUMAN	no	0.81	0.29	37	14.4	1.08	0.43	38	9.5	0.88	0.32	34	5.7			X		610	10	5
PKN2_HUMAN	no	0.81	0.29	32	17.2	0.68	0.09	31	19.4	1.08	0.37	33	6.8	X	X			334	6	4
DDX46_HUMAN	no	0.82	0.30	27	17.2	0.86	0.29	27	17.8	0.99	0.47	18	4.2			X		256	4	3
STRN3_HUMAN	no	0.82	0.30	17	12.5	0.93	0.38	13	12.0	0.89	0.32	12	3.5					205	2	2
VPS29_HUMAN	no	0.82	0.30	29	14.8	0.88	0.32	32	18.7	0.97	0.44	28	5.1					282	5	5
RL32_HUMAN	no	0.82	0.30	44	17.2	1.03	0.50	40	10.0	0.91	0.36	42	7.6					607	7	5
K2C8_HUMAN	no	0.82	0.30	130	15.5	0.82	0.23	136	16.1	1.10	0.34	129	4.7			X		1332	25	18
CSDE1_HUMAN	no	0.82	0.30	89	16.5	0.70	0.11	87	16.6	1.33	0.09	76	4.9					856	12	11
ALDH2_HUMAN	no	0.82	0.30	20	14.4	0.76	0.17	18	21.2	1.04	0.45	16	19.3			X		277	7	4
ISOC1_HUMAN	no	0.82	0.30	18	21.8	1.20	0.29	14	13.3	0.75	0.14	18	12.4					240	2	2
DPOD3_HUMAN	no	0.82	0.30	21	19.4	0.80	0.21	21	19.8	0.95	0.42	21	5.9		X			317	4	3
SYAC_HUMAN	no	0.83	0.31	78	18.6	0.90	0.34	79	12.6	1.07	0.40	75	6.0	X				927	10	9
DNJA3_HUMAN	no	0.83	0.31	17	9.2	0.91	0.35	18	12.5	0.92	0.36	22	11.4	X				153	2	2
QOR_HUMAN	no	0.83	0.31	22	17.5	0.80	0.21	23	17.4	1.19	0.21	14	2.8					263	3	3
ECHD1_HUMAN	no	0.83	0.31	15	15.3	1.00	0.47	18	17.6	0.88	0.30	18	8.2					230	2	2
RT07_HUMAN	no	0.83	0.31	17	13.3	1.02	0.49	16	8.5	0.99	0.46	8	8.0					236	3	2
NPM_HUMAN	no	0.83	0.31	43	16.2	0.90	0.34	41	11.0	0.93	0.38	43	6.0	X			X	916	19	7
DIM1_HUMAN	no	0.83	0.31	28	18.3	0.71	0.12	31	25.3	0.92	0.36	30	10.7					333	6	5
FAF1_HUMAN	no	0.83	0.31	19	20.0	0.99	0.46	17	17.6	0.92	0.36	19	12.6	X				227	2	2
ATPA_HUMAN	no	0.84	0.32	59	14.8	1.40	0.13	63	7.5	0.66	0.06	52	10.8					1046	16	7
FBRL_HUMAN	no	0.84	0.32	17	10.7	0.91	0.35	21	9.4	0.84	0.26	23	5.5					307	3	2
CBX5_HUMAN	no	0.84	0.32	32	15.0	0.86	0.29	32	11.6	1.11	0.33	29	5.9					292	3	3
S10A6_HUMAN	no	0.84	0.32	31	14.7	1.08	0.43	22	3.8	0.84	0.25	26	3.7					629	10	6
UHRF1_HUMAN	no	0.84	0.32	28	16.5	0.91	0.35	28	15.2	0.90	0.34	23	4.4					177	3	3
BACH_HUMAN	no	0.84	0.32	35	14.9	0.99	0.46	33	10.3	0.75	0.15	35	10.9			X		410	6	4
1433Z_HUMAN	no	0.84	0.32	60	10.9	0.87	0.29	62	12.3	0.91	0.35	61	5.2	X			X	842	11	9
F120A_HUMAN	no	0.84	0.32	47	18.3	0.98	0.45	39	13.8	0.77	0.16	45	9.8					394	7	6
ABCF2_HUMAN	no	0.84	0.32	29	15.1	0.79	0.19	28	17.2	1.01	0.49	22	6.6					289	5	4
DX39B_HUMAN	no	0.84	0.32	71	14.5	1.21	0.28	81	9.6	0.81	0.21	77	10.6					963	13	9
SMC2_HUMAN	no	0.84	0.32	60	16.3	0.90	0.34	56	13.9	0.83	0.25	51	6.6	X				662	10	8
RBBP4_HUMAN	no	0.84	0.32	18	16.4	1.02	0.49	17	10.7	1.01	0.49	17	5.7	X			X	436	7	2
AMPL_HUMAN	no	0.84	0.32	67	18.1	0.81	0.22	66	17.0	1.10	0.35	54	5.6			X		835	10	9
SMC1A_HUMAN	no	0.84	0.32	35	12.6	1.02	0.49	33	10.0	0.90	0.33	36	7.1	X				407	8	4

SNX5_HUMAN	no	0.84	0.33	25	14.3	1.01	0.47	22	14.5	0.79	0.18	19	5.8	X		X	201	4	3	
SYG_HUMAN	no	0.84	0.33	23	13.5	1.30	0.20	22	7.2	0.71	0.10	14	8.7			X	146	3	3	
EIF3J_HUMAN	no	0.85	0.33	25	12.2	1.02	0.50	29	10.0	0.82	0.23	29	7.9			X	408	5	4	
ILF2_HUMAN	no	0.85	0.33	29	14.5	1.08	0.43	27	12.9	0.86	0.29	27	8.7			X	416	4	3	
PCNA_HUMAN	no	0.85	0.33	53	9.2	0.81	0.22	54	9.1	1.12	0.32	45	2.5		X	X	587	9	7	
1433B_HUMAN	no	0.85	0.33	36	12.9	0.96	0.42	37	13.1	1.01	0.49	33	4.5	X		X	599	9	6	
RADI_HUMAN	no	0.85	0.33	15	13.1	0.84	0.26	12	8.3	1.08	0.37	10	1.5			X	122	5	2	
CTNA1_HUMAN	no	0.85	0.34	44	11.8	1.16	0.33	43	6.8	0.94	0.40	43	6.2	X			563	12	7	
RENT1_HUMAN	no	0.85	0.34	29	19.2	0.88	0.31	24	17.0	1.08	0.38	21	5.9			X	322	6	4	
LIS1_HUMAN	no	0.85	0.34	36	11.4	0.88	0.31	38	12.7	0.89	0.33	33	4.5		X		365	4	4	
NOL8_HUMAN	no	0.85	0.34	7	22.3	1.02	0.49	10	23.6	0.78	0.17	4	2.3				144	2	2	
EF1A1_HUMAN	no	0.86	0.34	92	12.6	1.18	0.31	97	9.2	0.75	0.14	85	5.4			X	2075	43	19	
CE170_HUMAN	no	0.86	0.34	18	18.2	0.70	0.11	19	23.9	1.07	0.39	16	7.2			X	160	2	2	
STRAP_HUMAN	no	0.86	0.34	34	13.5	0.68	0.09	33	17.4	1.21	0.19	32	4.7				498	8	5	
HNRPL_HUMAN	no	0.86	0.34	51	10.1	0.91	0.35	56	9.9	1.13	0.29	52	4.9			X	1597	19	8	
DIDO1_HUMAN	no	0.86	0.35	19	10.1	0.98	0.44	18	8.4	0.91	0.35	22	6.7	X		X	193	3	3	
SYYC_HUMAN	no	0.86	0.35	91	18.4	1.16	0.33	87	12.0	1.03	0.47	88	7.6	X		X	889	16	11	
SERPH_HUMAN	no	0.87	0.35	61	15.7	1.13	0.37	60	12.8	0.77	0.16	54	12.1				908	14	8	
PLAK_HUMAN	no	0.87	0.35	17	12.2	1.16	0.33	19	16.9	0.72	0.11	15	13.2	X			166	4	2	
ACO13_HUMAN	no	0.87	0.35	16	12.8	1.00	0.47	16	8.5	0.85	0.27	16	9.5				220	4	2	
K6PL_HUMAN	no	0.87	0.35	12	16.4	1.14	0.36	12	5.8	0.83	0.24	14	11.4				181	3	2	
CH10_HUMAN	no	0.87	0.35	129	13.2	0.92	0.36	134	12.8	0.78	0.18	116	6.2	X			1535	23	15	
ACLY_HUMAN	no	0.87	0.35	97	16.2	1.05	0.47	96	10.6	1.06	0.42	89	5.3			X	1107	18	12	
FKB10_HUMAN	no	0.87	0.35	19	13.6	0.70	0.11	15	14.5	1.14	0.28	11	2.8			X	198	3	2	
SYVC_HUMAN	no	0.87	0.35	22	10.4	0.73	0.13	26	17.5	1.02	0.48	23	5.7			X	353	5	4	
SMCA5_HUMAN	no	0.87	0.35	45	13.3	1.08	0.43	46	11.1	0.76	0.16	39	12.6			X	447	6	6	
E2AK2_HUMAN	no	0.87	0.35	11	4.4	0.88	0.31	14	13.6	0.87	0.29	20	14.8	X			317	5	4	
RL28_HUMAN	no	0.87	0.35	14	17.5	0.94	0.40	14	13.2	0.97	0.43	13	4.2				214	3	2	
RASA1_HUMAN	no	0.87	0.36	6	2.8	1.04	0.47	7	5.3	0.84	0.25	7	3.8	X			116	2	2	
P5CR1_HUMAN	no	0.87	0.36	8	12.4	1.06	0.46	9	11.7	0.83	0.24	8	5.9				314	4	2	
TECR_HUMAN	no	0.88	0.36	28	9.8	0.87	0.29	28	13.0	1.07	0.39	27	3.8				214	4	3	
NEUL_HUMAN	no	0.88	0.36	12	6.3	1.14	0.35	12	4.5	0.79	0.19	14	2.7				115	2	2	
COPD_HUMAN	no	0.88	0.36	32	15.7	1.24	0.25	27	9.2	0.72	0.12	23	4.6		X		411	6	4	
RL17_HUMAN	no	0.88	0.36	52	17.2	1.04	0.48	49	8.2	0.88	0.31	53	9.6				771	13	9	

CYBP_HUMAN	no	0.88	0.36	24	11.1	1.03	0.49	25	10.9	0.83	0.24	22	5.3	X	X	232	5	3		
RL23A_HUMAN	no	0.88	0.36	38	12.1	1.18	0.31	38	8.0	0.98	0.45	47	4.7			797	14	7		
AP3D1_HUMAN	no	0.88	0.36	21	15.8	1.31	0.19	17	12.2	0.92	0.37	23	10.8		X	119	4	4		
XPO7_HUMAN	no	0.88	0.36	29	10.5	0.88	0.32	29	9.1	0.91	0.35	30	5.5			168	4	3		
WDHD1_HUMAN	no	0.88	0.36	13	21.5	0.86	0.28	13	13.7	0.86	0.28	10	19.8		X	134	3	2		
CPSF6_HUMAN	no	0.88	0.36	28	14.0	1.31	0.19	24	7.3	1.03	0.47	25	6.9		X	593	7	4		
SDCB1_HUMAN	no	0.88	0.36	14	16.9	0.85	0.27	15	14.5	1.14	0.28	13	3.9			181	3	2		
ROA3_HUMAN	no	0.88	0.36	18	15.8	0.91	0.35	18	12.1	1.11	0.32	17	7.5		X	475	10	2		
PFD5_HUMAN	no	0.88	0.36	76	14.3	1.04	0.49	82	12.1	0.95	0.40	78	8.6			879	9	9		
PYGB_HUMAN	no	0.88	0.37	42	16.2	1.04	0.49	40	14.8	1.05	0.44	33	6.8			483	7	5		
G3BP2_HUMAN	no	0.88	0.37	29	15.2	0.83	0.25	29	10.3	1.04	0.44	25	11.7		X	255	3	3		
EXOSX_HUMAN	no	0.88	0.37	28	12.8	0.95	0.40	30	12.6	1.08	0.37	27	7.6			329	4	4		
ENOA_HUMAN	no	0.89	0.37	327	14.0	0.88	0.31	313	14.2	1.11	0.32	299	5.4			5044	67	40		
FLNA_HUMAN	no	0.89	0.37	128	14.0	0.69	0.10	144	18.9	1.23	0.17	131	4.5	X	X	1376	23	20		
SRPR_HUMAN	no	0.89	0.37	15	10.0	0.77	0.18	14	7.8	0.99	0.47	15	5.6			199	4	3		
TCPD_HUMAN	no	0.89	0.37	36	15.7	0.74	0.15	35	16.6	1.22	0.18	39	7.4		X	436	11	6		
IF2G_HUMAN	no	0.89	0.37	38	15.1	0.85	0.27	41	15.2	1.11	0.32	33	5.3			306	7	5		
STIP1_HUMAN	no	0.89	0.37	82	11.7	0.94	0.39	78	11.9	1.15	0.26	85	7.4		X	1829	29	14		
MCM6_HUMAN	no	0.89	0.37	48	13.7	1.10	0.40	39	7.7	0.90	0.34	42	5.5	X	X	603	7	6		
EIF3C_HUMAN	no	0.89	0.37	45	17.6	0.90	0.34	41	16.1	0.85	0.26	40	8.2			480	8	6		
RS3A_HUMAN	no	0.89	0.37	30	9.3	0.75	0.15	38	15.7	1.05	0.43	37	5.1	X		627	15	7		
RM45_HUMAN	no	0.89	0.37	11	6.1	0.83	0.25	13	15.5	0.87	0.30	12	5.7			207	3	2		
LA_HUMAN	no	0.89	0.37	48	12.0	1.28	0.21	48	7.8	0.85	0.26	44	9.9			607	9	6		
EI2BG_HUMAN	no	0.89	0.38	15	13.6	1.09	0.41	14	12.2	0.76	0.15	16	13.1			161	2	2		
HNRL1_HUMAN	no	0.90	0.38	28	14.8	1.07	0.44	23	12.4	0.85	0.26	22	7.6		X	231	5	4		
ZFR_HUMAN	no	0.90	0.38	25	18.3	1.40	0.13	22	7.8	0.65	0.05	24	18.1			222	3	3		
ECI2_HUMAN	no	0.90	0.38	34	13.6	1.02	0.49	40	9.7	0.83	0.23	40	8.9			324	5	5		
PUR9_HUMAN	no	0.90	0.38	68	16.4	0.92	0.37	61	11.0	1.13	0.29	67	7.2		X	876	15	9		
FA98B_HUMAN	no	0.90	0.38	17	15.9	0.86	0.28	15	14.4	0.88	0.31	14	6.1			135	2	2		
SND1_HUMAN	no	0.90	0.39	51	10.5	0.93	0.37	46	8.8	1.11	0.33	46	3.3			701	9	6		
RL13_HUMAN	no	0.90	0.39	23	11.5	0.75	0.16	26	19.9	1.11	0.33	21	11.2		X	352	4	3		
TFG_HUMAN	no	0.90	0.39	31	10.8	1.01	0.48	32	8.1	0.91	0.35	29	5.0			520	4	3		
RM01_HUMAN	no	0.90	0.39	16	20.3	1.02	0.49	14	13.1	0.90	0.35	14	9.7			207	3	2		
MDHC_HUMAN	no	0.90	0.39	64	16.4	0.85	0.27	59	14.2	1.23	0.17	57	4.2			954	13	7		

G3P_HUMAN	no	0.91	0.39	195	12.6	0.85	0.27	192	13.7	1.36	0.07	201	6.4	X		X	3651	45	28	
WDR82_HUMAN	no	0.91	0.39	18	14.7	1.01	0.48	16	12.4	1.01	0.50	12	5.1				128	2	2	
PABP1_HUMAN	no	0.91	0.39	112	12.4	0.81	0.23	110	12.4	1.13	0.30	115	5.8			X	1647	29	17	
U2AF2_HUMAN	no	0.91	0.39	35	18.0	0.88	0.31	38	12.7	1.07	0.39	32	11.9			X	519	8	6	
TCPH_HUMAN	no	0.91	0.39	140	14.2	1.19	0.30	138	10.3	0.94	0.40	140	7.3			X	2045	44	21	
NPL4_HUMAN	no	0.91	0.39	19	12.0	0.65	0.07	20	19.0	1.27	0.14	21	5.4				147	3	2	
RCC2_HUMAN	no	0.91	0.39	24	15.8	0.91	0.35	22	16.1	0.83	0.24	20	8.5		X	X	176	3	3	
MRRP3_HUMAN	no	0.91	0.40	12	12.3	0.92	0.36	9	14.9	1.07	0.39	13	6.7				129	3	2	
BAIP2_HUMAN	no	0.91	0.40	15	14.3	1.00	0.47	23	17.3	1.14	0.28	17	8.5				184	3	3	
RS6_HUMAN	no	0.91	0.40	58	12.0	0.84	0.25	55	9.3	1.09	0.35	58	4.1	X			585	11	9	
CLAP1_HUMAN	no	0.91	0.40	41	11.5	1.12	0.38	42	10.8	0.98	0.45	45	7.7		X	X	502	8	5	
EXOS3_HUMAN	no	0.91	0.40	22	17.8	0.83	0.25	20	11.3	1.11	0.33	20	9.1				296	3	3	
SYWC_HUMAN	no	0.91	0.40	24	14.1	0.84	0.26	22	16.0	0.89	0.32	24	8.4				281	3	3	
KAT3_HUMAN	no	0.92	0.40	28	15.5	0.87	0.30	29	17.1	0.94	0.39	29	9.5				294	4	3	
UBR4_HUMAN	no	0.92	0.40	37	12.6	1.17	0.31	39	12.0	0.85	0.27	41	13.4				X	531	9	7
RL3_HUMAN	no	0.92	0.40	76	12.6	1.12	0.38	71	8.0	0.97	0.44	68	3.8				X	1087	20	9
WDR61_HUMAN	no	0.92	0.41	11	11.2	0.90	0.33	12	12.7	0.97	0.44	13	6.6				X	510	12	2
GNAI3_HUMAN	no	0.92	0.41	31	13.6	1.02	0.49	36	13.3	0.84	0.26	34	6.5				X	277	7	6
ZW10_HUMAN	no	0.92	0.41	12	20.2	0.96	0.41	12	18.7	0.84	0.26	15	6.5			X		161	2	2
DDX42_HUMAN	no	0.92	0.41	25	16.6	0.99	0.45	24	11.7	0.99	0.47	20	11.6				X	243	3	3
CSRP1_HUMAN	no	0.92	0.41	30	14.8	1.14	0.35	24	9.8	0.81	0.22	29	8.7				X	424	5	3
EFTU_HUMAN	no	0.92	0.41	43	13.1	0.89	0.32	42	15.9	1.00	0.49	38	4.9			X		371	6	4
TPD53_HUMAN	no	0.92	0.41	26	20.2	0.88	0.32	27	19.6	0.85	0.27	23	10.8	X	X			314	4	3
SYIC_HUMAN	no	0.92	0.41	61	10.6	1.14	0.35	65	8.3	0.92	0.37	63	8.0				X	853	8	7
NASP_HUMAN	no	0.92	0.41	91	18.5	0.80	0.21	90	16.3	1.09	0.36	78	4.8				X	983	14	10
SART3_HUMAN	no	0.92	0.41	12	19.2	0.92	0.36	15	14.2	1.12	0.31	11	3.2				X	101	2	2
RAD50_HUMAN	no	0.92	0.41	51	16.7	1.19	0.30	55	12.6	0.78	0.18	52	10.4				X	614	9	7
FAS_HUMAN	no	0.93	0.41	119	13.9	0.93	0.38	116	13.6	1.07	0.39	103	5.5				X	1449	21	15
GRP75_HUMAN	no	0.93	0.41	97	14.1	1.05	0.46	91	9.0	0.96	0.42	90	7.8	X			X	1033	17	12
NRDC_HUMAN	no	0.93	0.41	30	15.1	0.92	0.36	37	16.3	1.12	0.32	33	4.8				X	251	4	4
TPIS_HUMAN	no	0.93	0.41	252	13.8	0.70	0.11	227	16.9	1.27	0.14	232	4.7				X	3572	45	31
CARF_HUMAN	no	0.93	0.41	17	19.7	0.91	0.35	17	13.9	0.95	0.41	15	6.2				X	181	2	2
SYEP_HUMAN	no	0.93	0.41	188	14.7	1.03	0.49	179	12.2	0.95	0.41	167	6.7				X	2015	25	21
RPAP3_HUMAN	no	0.93	0.41	27	8.4	1.06	0.46	30	7.9	0.86	0.29	32	5.1				X	457	4	4

PRKDC_HUMAN	no	0.93	0.41	195	14.0	1.13	0.37	196	11.6	0.86	0.29	188	9.5	X		X	2398	36	26
SYLC_HUMAN	no	0.93	0.41	95	12.6	1.11	0.39	96	9.1	0.88	0.30	86	9.0				980	17	14
PDLI5_HUMAN	no	0.93	0.41	34	19.5	1.06	0.45	35	11.8	0.83	0.25	32	18.4				396	4	4
AIFM1_HUMAN	no	0.93	0.42	44	11.7	0.86	0.28	40	11.9	1.08	0.38	49	7.4	X			483	5	5
C1QBP_HUMAN	no	0.93	0.42	54	18.1	1.03	0.49	49	7.5	0.98	0.46	54	13.1				590	6	5
DLDH_HUMAN	no	0.93	0.42	47	13.2	0.93	0.38	51	13.6	1.11	0.33	42	6.1				767	12	6
MYO1B_HUMAN	no	0.94	0.42	63	13.0	0.94	0.39	66	13.2	0.80	0.20	58	6.8				678	12	9
VINC_HUMAN	no	0.94	0.42	112	13.9	1.01	0.48	114	11.5	1.16	0.25	106	6.6				1316	19	15
MAOM_HUMAN	no	0.94	0.42	14	6.7	1.17	0.32	15	6.0	0.83	0.24	16	7.4				161	2	2
CHCH2_HUMAN	no	0.94	0.42	18	13.3	0.81	0.22	19	19.6	0.97	0.44	15	2.6				172	3	2
RT31_HUMAN	no	0.94	0.42	14	13.9	1.16	0.33	15	6.8	0.74	0.13	12	11.9				213	4	2
THOC2_HUMAN	no	0.94	0.42	25	10.1	1.16	0.33	21	11.4	0.80	0.20	14	5.4				499	9	4
MST4_HUMAN	no	0.94	0.43	26	10.6	0.96	0.42	20	11.6	1.07	0.39	17	4.2	X			316	4	3
SF3A1_HUMAN	no	0.94	0.43	35	13.6	0.89	0.32	35	10.8	1.11	0.32	33	4.0				471	6	5
UBF1_HUMAN	no	0.94	0.43	14	9.5	1.11	0.39	21	11.6	0.92	0.37	23	7.7				124	4	4
SPEE_HUMAN	no	0.94	0.43	66	12.1	1.11	0.39	70	11.7	1.07	0.39	64	6.7				499	8	8
SEPT2_HUMAN	no	0.94	0.43	10	19.7	0.90	0.34	9	13.5	0.99	0.47	6	0.8	X			324	4	3
RRFM_HUMAN	no	0.94	0.43	11	6.0	1.15	0.34	7	3.2	0.81	0.21	11	8.1				145	4	2
RAB2A_HUMAN	no	0.94	0.43	34	17.7	0.90	0.33	32	15.2	0.91	0.35	28	6.8				381	3	3
IL18_HUMAN	no	0.94	0.43	14	19.2	0.91	0.35	12	15.0	1.03	0.47	10	5.8	X			155	3	2
ESYT1_HUMAN	no	0.94	0.43	13	10.1	0.85	0.28	10	7.5	0.96	0.43	13	4.4				129	3	2
UBP5_HUMAN	no	0.94	0.43	22	7.7	0.92	0.36	22	9.7	1.08	0.37	23	2.9				327	7	4
DNJC8_HUMAN	no	0.94	0.43	11	12.0	1.10	0.40	11	8.0	0.87	0.30	8	5.4				110	4	2
ANXA1_HUMAN	no	0.94	0.43	148	10.0	1.20	0.29	151	9.4	0.88	0.30	137	7.9	X			2573	46	20
PRS6B_HUMAN	no	0.94	0.43	14	11.7	1.16	0.33	14	7.6	0.75	0.14	14	11.1	X	X		245	4	2
SLK_HUMAN	no	0.94	0.43	69	12.9	0.75	0.16	71	13.6	1.09	0.36	67	7.7	X			714	9	9
CD2AP_HUMAN	no	0.95	0.43	54	15.1	0.74	0.14	51	18.9	1.06	0.42	41	4.2				585	7	6
NU133_HUMAN	no	0.95	0.43	17	9.8	1.01	0.48	17	12.3	1.12	0.31	16	8.4				345	4	2
SMHD1_HUMAN	no	0.95	0.43	24	13.1	0.97	0.43	23	11.5	1.16	0.25	25	6.9				176	6	4
STAM1_HUMAN	no	0.95	0.43	8	9.6	0.85	0.27	8	9.5	1.06	0.41	8	3.2				101	2	2
EGFR_HUMAN	no	0.95	0.43	27	14.9	0.82	0.24	22	26.1	1.02	0.48	25	4.3	X	X		280	5	4
RL31_HUMAN	no	0.95	0.43	32	11.1	0.92	0.36	37	17.0	1.14	0.29	35	8.6				653	7	5
H15_HUMAN	no	0.95	0.43	105	14.0	0.79	0.20	103	13.8	0.97	0.44	86	5.3				1459	23	11
PSA_HUMAN	no	0.95	0.43	53	15.5	1.30	0.20	55	12.4	0.95	0.41	49	8.2				688	10	9

EFTS_HUMAN	no	0.95	0.44	40	16.9	0.97	0.43	45	13.5	1.18	0.23	42	5.9		X	424	11	8			
MPRI_HUMAN	no	0.95	0.44	19	12.5	0.87	0.30	16	9.1	0.93	0.39	18	7.4			247	2	2			
ECHB_HUMAN	no	0.95	0.44	28	7.9	1.17	0.32	25	6.6	1.02	0.48	33	7.8		X	348	8	7			
RL24_HUMAN	no	0.95	0.44	59	11.6	0.93	0.38	61	14.0	1.14	0.29	66	5.1		X	795	12	9			
SC24C_HUMAN	no	0.95	0.44	9	10.4	0.84	0.26	4	4.8	1.33	0.09	10	2.9			155	3	2			
RA1L2_HUMAN	no	0.95	0.44	50	13.9	1.14	0.36	47	11.4	0.93	0.39	37	5.2			599	12	9			
RLAO_HUMAN	no	0.95	0.44	139	14.9	1.15	0.34	128	12.1	0.97	0.44	138	9.6		X	1603	24	21			
PSME1_HUMAN	no	0.95	0.44	66	10.7	0.95	0.40	67	11.3	1.19	0.22	57	3.5	X	X	963	18	7			
INT3_HUMAN	no	0.96	0.44	19	8.6	1.03	0.49	20	9.4	0.99	0.47	22	5.1			211	3	3			
GBRL2_HUMAN	no	0.96	0.44	20	10.7	0.88	0.30	13	10.2	1.22	0.18	19	4.7			260	4	2			
RHG01_HUMAN	no	0.96	0.44	20	8.2	1.27	0.22	14	3.5	0.83	0.24	17	4.3			X	423	7	3		
PPM1G_HUMAN	no	0.96	0.44	15	10.3	0.93	0.38	16	10.6	0.98	0.45	17	6.2			X	235	3	2		
PSD11_HUMAN	no	0.96	0.44	58	11.4	1.00	0.47	58	10.1	0.91	0.35	58	5.3	X	X	X	557	6	6		
FKBP4_HUMAN	no	0.96	0.45	97	9.3	1.18	0.31	86	9.0	0.84	0.25	85	7.2			X	1520	22	15		
IMDH2_HUMAN	no	0.96	0.45	84	12.3	1.00	0.46	80	12.9	0.93	0.39	84	9.1			X	831	12	10		
RUVB1_HUMAN	no	0.97	0.45	86	12.0	1.06	0.46	89	11.8	0.90	0.33	75	6.4		X	X	X	716	13	11	
CD11B_HUMAN	no	0.97	0.45	20	10.4	1.15	0.34	12	7.0	0.90	0.33	16	5.3	X	X	X	113	4	3		
DCTN1_HUMAN	no	0.97	0.45	15	15.8	0.88	0.31	12	13.2	0.91	0.35	15	11.7	X	X	X	222	4	2		
U520_HUMAN	no	0.97	0.45	38	12.6	1.18	0.31	30	7.9	0.71	0.11	30	15.5				326	7	6		
CAPR1_HUMAN	no	0.97	0.45	48	11.6	0.75	0.16	51	14.1	1.20	0.21	40	4.2			X	379	5	5		
SAHH_HUMAN	no	0.97	0.45	43	11.9	0.85	0.27	40	11.4	1.14	0.28	37	3.9			X	697	13	7		
DHX15_HUMAN	no	0.97	0.45	22	14.4	1.14	0.35	22	8.6	0.82	0.23	18	3.2				203	3	2		
RBBP6_HUMAN	no	0.97	0.45	10	13.0	0.73	0.13	6	12.0	1.35	0.08	7	14.6			X	46	2	2		
2AAA_HUMAN	no	0.97	0.46	62	11.9	1.00	0.46	54	10.8	0.98	0.45	49	6.8	X	X	X	585	9	7		
METL5_HUMAN	no	0.97	0.46	17	18.2	0.76	0.17	16	23.9	1.13	0.30	14	7.3				134	2	2		
PHB_HUMAN	no	0.97	0.46	32	11.3	0.95	0.40	32	11.4	1.02	0.48	30	6.0	X			652	6	4		
HNRPU_HUMAN	no	0.97	0.46	72	10.8	0.82	0.24	55	9.3	1.28	0.13	64	5.5			X	640	14	11		
SYIM_HUMAN	no	0.97	0.46	52	12.6	1.05	0.47	53	15.0	0.94	0.40	43	8.1				411	6	6		
COPA_HUMAN	no	0.97	0.46	61	12.3	1.33	0.18	70	10.4	0.92	0.37	61	9.5			X	814	13	8		
WDR1_HUMAN	no	0.97	0.46	72	13.8	1.05	0.47	66	12.3	1.10	0.35	64	6.7			X	725	7	7		
AP2A2_HUMAN	no	0.98	0.46	24	8.5	0.89	0.33	26	9.7	1.01	0.50	26	5.8			X	305	3	3		
SYRC_HUMAN	no	0.98	0.46	68	12.9	0.80	0.21	68	14.1	1.30	0.11	68	7.6				838	10	8		
MTAP_HUMAN	no	0.98	0.46	26	14.3	0.84	0.26	26	14.8	1.04	0.45	18	4.3				334	9	4		
VDAC3_HUMAN	no	0.98	0.46	38	9.7	1.24	0.24	39	11.1	0.77	0.17	38	14.2				949	18	5		

		Protein A												Protein B			Protein C		
		Mean	S.E.M.	N	Mean	S.E.M.	N	Mean	S.E.M.	N	Mean	S.E.M.	N	Mean	S.E.M.	N	Mean	S.E.M.	N
GSH1_HUMAN	no	0.98	0.46	25	12.7	1.10	0.40	24	8.1	0.83	0.24	24	13.2	X		X	363	5	3
ANX11_HUMAN	no	0.98	0.46	18	11.7	1.06	0.45	11	5.2	0.98	0.45	14	3.1		X		103	2	2
FUBP1_HUMAN	no	0.98	0.47	37	28.7	0.79	0.20	31	11.7	1.37	0.07	35	10.2		X		601	8	7
TRIA1_HUMAN	no	0.98	0.47	22	11.9	0.74	0.14	24	12.3	1.07	0.39	25	6.0	X	X	X	328	3	3
CAZA1_HUMAN	no	0.98	0.47	34	11.2	0.81	0.22	33	9.4	1.08	0.37	29	6.9		X		390	7	5
UCHL5_HUMAN	no	0.98	0.47	32	12.0	1.00	0.47	32	12.1	1.12	0.31	29	4.3				164	3	3
UGGG1_HUMAN	no	0.98	0.47	65	13.7	1.20	0.29	63	11.3	0.90	0.33	61	5.7				688	11	8
EHD1_HUMAN	no	0.98	0.47	22	13.2	0.92	0.36	21	14.6	1.16	0.26	19	3.1				204	2	2
PLEC_HUMAN	no	0.99	0.47	150	13.1	0.94	0.39	136	14.6	1.12	0.32	154	7.8	X		X	1509	28	20
RED_HUMAN	no	0.99	0.47	16	12.0	0.87	0.30	12	14.9	1.12	0.31	10	9.8			X	219	2	2
RB3GP_HUMAN	no	0.99	0.47	17	11.1	0.77	0.18	17	18.3	1.12	0.32	11	1.8				263	3	3
PNPT1_HUMAN	no	0.99	0.47	71	12.5	1.05	0.47	75	11.4	0.77	0.16	70	8.7				977	8	7
ACTN1_HUMAN	no	0.99	0.47	79	13.7	1.02	0.49	71	11.0	0.95	0.41	71	9.5	X		X	1244	19	9
PTBP1_HUMAN	no	0.99	0.47	34	12.9	0.97	0.42	40	11.9	0.99	0.47	41	9.2			X	640	12	6
HM13_HUMAN	no	0.99	0.48	8	1.4	1.24	0.25	10	3.7	0.73	0.12	12	6.1				190	5	3
HNRPC_HUMAN	no	0.99	0.48	26	10.3	0.97	0.43	26	10.9	0.91	0.35	20	2.4			X	319	5	3
SRP72_HUMAN	no	0.99	0.48	21	14.0	0.75	0.16	25	21.6	0.98	0.46	22	6.1			X	177	3	3
NAA10_HUMAN	no	0.99	0.48	15	13.4	1.17	0.31	13	9.6	0.88	0.31	8	2.2			X	306	3	2
NIT2_HUMAN	no	0.99	0.48	56	14.1	1.05	0.46	53	7.8	1.17	0.25	51	14.4				785	8	6
AN32B_HUMAN	no	0.99	0.48	21	4.7	0.79	0.20	24	6.9	1.15	0.27	18	2.4			X	485	8	5
GLRX3_HUMAN	no	0.99	0.48	55	9.0	0.86	0.28	59	14.1	1.01	0.50	61	9.6			X	601	12	8
NU214_HUMAN	no	1.00	0.48	26	13.3	1.00	0.47	28	8.5	1.01	0.50	23	5.2				256	6	4
NUDC1_HUMAN	no	1.00	0.48	18	10.0	1.27	0.22	20	13.9	0.68	0.08	20	20.2				195	4	2
MYO1C_HUMAN	no	1.00	0.48	15	10.2	0.93	0.38	15	10.2	1.00	0.48	13	4.0				116	2	2
RAB21_HUMAN	no	1.00	0.48	11	3.5	1.16	0.33	9	7.7	0.76	0.15	13	11.7			X	181	2	2
AL3A2_HUMAN	no	1.00	0.48	44	11.0	1.21	0.27	45	9.5	0.87	0.29	42	8.0				624	8	6
GCN1L_HUMAN	no	1.00	0.49	135	15.0	1.04	0.48	130	11.5	1.02	0.49	127	6.9			X	1495	23	20
XPO5_HUMAN	no	1.00	0.49	44	12.6	1.20	0.28	44	11.9	0.89	0.32	38	8.8				656	9	6
CNDP2_HUMAN	no	1.00	0.49	18	11.2	0.92	0.36	27	13.6	0.94	0.39	20	5.4				193	7	4
S10AB_HUMAN	no	1.00	0.49	72	7.5	0.96	0.42	85	13.3	1.02	0.49	76	8.3				689	10	10
KAD6_HUMAN	no	1.00	0.49	15	15.7	0.77	0.18	15	18.0	1.37	0.07	15	3.6				185	3	2
LONM_HUMAN	no	1.00	0.49	35	20.8	1.10	0.40	33	10.9	0.89	0.33	24	5.3				365	6	4
TBA4A_HUMAN	no	1.01	0.49	28	7.6	0.88	0.31	25	7.9	1.18	0.23	28	4.7	X		X	1488	32	5
HS105_HUMAN	no	1.01	0.49	102	11.6	0.94	0.39	97	9.3	1.28	0.13	102	5.7		X		1041	13	13

HXK2_HUMAN	no	1.01	0.49	22	9.9	0.76	0.16	21	17.6	1.14	0.28	20	8.2	X		265	4	3		
TRAP1_HUMAN	no	1.01	0.49	46	11.3	1.13	0.36	44	8.5	0.78	0.18	38	8.8	X		454	7	6		
CHERP_HUMAN	no	1.01	0.49	33	14.4	0.98	0.44	33	14.5	1.07	0.39	31	4.7			179	4	3		
EIF3A_HUMAN	no	1.01	0.50	24	15.5	1.30	0.20	22	8.1	0.70	0.09	14	5.3			322	7	4		
RS13_HUMAN	no	1.01	0.50	30	14.8	1.19	0.30	32	11.3	0.80	0.20	30	13.5			354	6	3		
RS18_HUMAN	no	1.01	0.50	35	9.2	0.91	0.35	36	10.1	1.07	0.40	25	2.1	X		665	12	4		
PACN2_HUMAN	no	1.01	0.50	19	7.7	0.83	0.25	20	10.7	1.27	0.13	21	3.6			236	3	2		
SCOT1_HUMAN	no	1.01	0.50	35	17.4	0.98	0.44	35	14.6	0.93	0.38	34	9.7			597	11	4		
U5S1_HUMAN	no	1.01	0.50	62	14.7	1.00	0.47	66	14.4	1.03	0.47	63	7.0			649	12	9		
CC026_HUMAN	no	1.01	0.50	7	2.4	1.23	0.26	7	3.2	0.91	0.35	10	6.9			99	2	2		
PSA7_HUMAN	no	1.01	0.50	35	13.5	1.14	0.35	34	10.2	0.85	0.26	29	6.6	X	X	336	6	4		
IPO5_HUMAN	no	1.01	0.50	83	11.0	1.42	0.12	84	8.8	0.70	0.09	83	14.0			1049	16	10		
PABP4_HUMAN	no	1.02	0.50	66	11.9	0.88	0.32	69	13.2	1.19	0.21	62	4.0			1306	17	8		
TCOF_HUMAN	no	1.02	0.50	33	12.5	0.67	0.08	33	21.7	1.21	0.20	29	4.2			395	3	3		
SYQ_HUMAN	no	1.02	0.50	28	18.5	0.84	0.26	34	23.2	1.13	0.30	34	6.4			378	7	5		
KDM1A_HUMAN	no	1.02	0.50	27	16.1	0.88	0.31	25	17.1	1.06	0.41	24	12.1	X		179	3	3		
MGN2_HUMAN	no	1.02	0.49	14	7.7	1.16	0.33	18	15.7	0.85	0.27	17	4.0			287	6	2		
CLP1L_HUMAN	no	1.02	0.49	6	5.2	1.26	0.23	4	0.6	0.90	0.34	4	1.2	X		94	2	2		
NUCL_HUMAN	no	1.02	0.49	174	13.5	0.89	0.33	167	13.6	1.14	0.28	145	4.5			2975	36	23		
PHAX_HUMAN	no	1.02	0.49	12	14.8	0.79	0.21	11	14.7	1.02	0.48	11	5.4			107	2	2		
TADBP_HUMAN	no	1.02	0.49	27	15.1	1.02	0.50	28	16.2	1.04	0.45	27	6.8	X		294	3	3		
PRP19_HUMAN	no	1.02	0.49	11	8.8	1.25	0.24	14	7.3	0.90	0.33	14	3.2			201	4	3		
ITA2_HUMAN	no	1.02	0.49	42	10.9	1.21	0.28	30	7.4	1.29	0.12	40	9.1			488	5	5		
ARP2_HUMAN	no	1.03	0.49	43	12.4	1.14	0.36	40	7.6	1.09	0.36	40	6.6			507	5	5		
SPB6_HUMAN	no	1.03	0.49	78	15.9	0.88	0.30	75	17.6	0.95	0.41	66	11.0			1320	17	8		
CPT2_HUMAN	no	1.03	0.49	7	8.3	1.43	0.12	12	8.0	0.84	0.25	9	8.3			79	2	2		
GTF2I_HUMAN	no	1.03	0.48	35	12.7	1.27	0.22	29	8.6	0.83	0.24	36	14.5			464	9	6		
RBM27_HUMAN	no	1.03	0.48	15	16.3	0.95	0.40	15	21.0	1.12	0.31	13	2.9			98	2	2		
GSTO1_HUMAN	no	1.03	0.48	33	15.8	1.44	0.11	35	12.8	0.75	0.15	36	9.0			480	7	5		
SFXN1_HUMAN	no	1.03	0.48	20	10.4	1.36	0.16	23	9.0	0.68	0.08	22	20.0			294	3	3		
SYTC_HUMAN	no	1.03	0.48	85	8.7	1.16	0.33	78	8.5	0.99	0.47	70	4.9	X		782	13	12		
PIPSL_HUMAN	no	1.03	0.48	26	14.5	0.81	0.22	26	20.1	1.27	0.14	23	3.0			292	5	3		
SYUG_HUMAN	no	1.03	0.48	53	7.7	0.89	0.33	63	11.2	1.11	0.33	53	4.7			673	9	7		
FLOT2_HUMAN	no	1.04	0.48	22	22.1	0.70	0.11	21	21.3	0.93	0.38	20	7.3			125	4	3		

DPYL2_HUMAN	no	1.04	0.48	36	6.6	1.05	0.47	31	7.8	1.09	0.36	38	6.7		X	637	6	4		
OLA1_HUMAN	no	1.04	0.47	56	11.9	1.27	0.22	55	10.8	0.95	0.41	57	9.1		X	527	10	8		
ERF3A_HUMAN	no	1.04	0.47	71	12.7	1.02	0.49	62	10.0	1.07	0.39	68	8.3	X	X	602	10	8		
UBA6_HUMAN	no	1.04	0.47	65	10.8	1.15	0.34	62	7.6	1.00	0.49	62	8.3			779	12	10		
RTCB_HUMAN	no	1.04	0.47	11	11.6	0.97	0.43	16	10.4	1.03	0.47	16	3.6			89	2	2		
AL7A1_HUMAN	no	1.04	0.47	42	9.4	1.17	0.32	53	7.7	1.11	0.32	49	7.0			667	9	8		
NUP93_HUMAN	no	1.04	0.47	37	12.1	1.22	0.27	41	11.3	1.11	0.33	38	8.4		X	300	6	5		
K2C5_HUMAN	no	1.04	0.47	24	14.3	1.04	0.48	17	9.6	1.21	0.19	23	6.3			189	7	3		
SFPQ_HUMAN	no	1.04	0.47	21	11.9	0.83	0.25	18	10.7	1.03	0.47	21	5.2		X	308	5	3		
LKHA4_HUMAN	no	1.04	0.47	115	12.0	1.00	0.47	118	12.5	1.05	0.44	118	7.6		X	1265	21	15		
HNRPK_HUMAN	no	1.04	0.47	65	11.2	1.04	0.48	73	13.0	1.09	0.36	69	11.5		X	1106	16	11		
DNM1L_HUMAN	no	1.04	0.47	17	12.0	0.88	0.31	14	11.1	0.91	0.35	14	6.6	X		278	4	3		
PGM1_HUMAN	no	1.04	0.47	53	13.3	1.16	0.33	53	13.4	0.95	0.42	50	7.3			646	6	6		
SYDC_HUMAN	no	1.05	0.46	55	13.5	1.06	0.45	64	12.8	0.91	0.35	61	13.2		X	996	13	10		
PRDX1_HUMAN	no	1.05	0.46	116	12.5	0.96	0.42	114	11.1	1.03	0.48	110	4.7			1464	24	16		
ATP5H_HUMAN	no	1.05	0.46	43	12.6	1.24	0.25	47	9.3	1.01	0.50	38	9.4		X	559	7	6		
EIF3B_HUMAN	no	1.05	0.46	29	9.4	0.93	0.38	34	14.2	0.70	0.10	26	7.1		X	431	7	5		
LMNB1_HUMAN	no	1.05	0.46	76	10.0	1.00	0.46	69	11.0	1.12	0.31	71	3.6	X		736	10	9		
COX5B_HUMAN	no	1.05	0.46	35	7.8	1.22	0.27	42	8.8	0.92	0.36	37	4.8		X	564	7	4		
TXD12_HUMAN	no	1.05	0.46	34	12.6	1.31	0.19	36	12.9	0.89	0.32	23	4.7			268	5	4		
MAT2B_HUMAN	no	1.05	0.46	16	15.1	1.00	0.46	15	13.6	0.84	0.26	15	15.1			154	2	2		
AP1B1_HUMAN	no	1.05	0.46	8	10.8	1.16	0.33	9	14.8	0.89	0.32	9	14.1			216	4	2		
APEX1_HUMAN	no	1.05	0.46	31	13.0	1.00	0.46	32	13.4	1.10	0.35	29	4.0		X	376	4	3		
RS5_HUMAN	no	1.05	0.46	18	16.8	1.60	0.06	16	8.4	0.65	0.06	17	18.7			466	5	2		
ALDR_HUMAN	no	1.05	0.46	30	11.1	1.18	0.30	26	8.4	0.80	0.20	27	5.6		X	315	5	4		
MAZ_HUMAN	no	1.05	0.46	9	6.5	0.97	0.43	9	5.2	1.16	0.26	8	5.4			137	2	2		
TES_HUMAN	no	1.05	0.45	11	6.7	1.36	0.16	10	9.0	0.85	0.26	11	14.6		X	218	4	2		
MCM3_HUMAN	no	1.05	0.45	63	9.0	1.27	0.22	63	11.2	0.94	0.39	67	5.4	X	X	600	9	9		
LDHB_HUMAN	no	1.05	0.45	114	10.6	1.37	0.15	108	9.4	0.79	0.18	102	12.4		X	1727	23	12		
ZO1_HUMAN	no	1.05	0.45	17	13.2	0.87	0.29	21	17.6	1.27	0.13	19	6.5	X		182	3	3		
PSMD1_HUMAN	no	1.06	0.45	70	12.6	1.10	0.40	69	12.3	0.94	0.39	63	10.9	X	X	699	10	9		
RNPS1_HUMAN	no	1.06	0.45	28	11.3	1.01	0.48	25	11.1	1.20	0.20	22	3.2		X	300	3	3		
MCES_HUMAN	no	1.06	0.45	25	13.2	1.30	0.20	26	6.8	0.65	0.06	24	10.6			253	3	3		
THIO_HUMAN	no	1.06	0.45	26	10.6	1.04	0.48	34	10.4	1.04	0.45	31	6.7		X	529	7	3		

MIA3_HUMAN	no	1.06	0.45	17	11.3	1.22	0.27	14	11.5	0.98	0.45	23	13.2		X	176	4	4			
CPNE3_HUMAN	no	1.06	0.45	27	11.0	0.98	0.44	20	8.8	1.04	0.45	30	9.8				415	6	4		
UBP2L_HUMAN	no	1.06	0.44	30	9.4	1.03	0.50	29	9.9	1.03	0.46	25	2.8				351	6	4		
RAB5C_HUMAN	no	1.06	0.44	14	7.7	1.15	0.34	15	7.2	1.03	0.47	14	4.7				239	3	2		
PGM2_HUMAN	no	1.06	0.44	16	17.5	0.96	0.42	16	12.4	1.03	0.46	13	6.1				189	3	2		
SPB5_HUMAN	no	1.07	0.44	78	11.3	1.10	0.40	78	10.4	1.00	0.49	70	5.6				1048	14	9		
PYRD_HUMAN	no	1.07	0.44	15	10.1	1.01	0.48	17	18.4	0.89	0.32	14	13.0	X			53	2	2		
SYNC_HUMAN	no	1.07	0.44	30	7.0	1.14	0.35	32	9.6	0.77	0.16	36	9.5				238	5	5		
K2C7_HUMAN	no	1.07	0.43	18	11.8	0.82	0.23	18	10.7	1.33	0.09	15	2.4				293	7	2		
BRE1A_HUMAN	no	1.07	0.43	25	18.7	0.97	0.43	23	19.3	1.01	0.50	25	4.7				245	4	3		
SRP54_HUMAN	no	1.07	0.43	31	11.8	1.12	0.38	32	12.9	0.87	0.30	29	9.1				395	4	3		
TIAR_HUMAN	no	1.07	0.43	19	13.7	0.98	0.44	17	13.7	1.07	0.39	18	4.0	X			64	2	2		
SEC63_HUMAN	no	1.07	0.43	16	9.2	1.26	0.23	15	5.3	0.96	0.43	17	7.8				208	2	2		
LRC40_HUMAN	no	1.07	0.43	21	9.6	1.22	0.27	22	8.5	0.87	0.30	18	5.0			X	198	5	3		
MAAI_HUMAN	no	1.08	0.43	12	12.5	0.96	0.41	12	12.5	1.13	0.30	11	3.7				142	2	2		
HSP7C_HUMAN	no	1.08	0.43	329	10.7	0.91	0.35	327	13.8	1.22	0.18	302	5.1			X	4747	80	47		
FRDA_HUMAN	no	1.08	0.42	9	10.6	1.14	0.35	11	14.1	1.01	0.50	11	10.6	X			96	3	2		
ELP1_HUMAN	no	1.08	0.42	24	14.8	1.57	0.06	19	8.7	0.73	0.12	19	14.2				98	3	3		
AP2M1_HUMAN	no	1.08	0.42	14	9.5	1.24	0.25	11	8.8	0.88	0.31	8	2.1				108	3	2		
SNUT2_HUMAN	no	1.08	0.42	31	6.5	1.06	0.45	34	10.2	0.81	0.22	23	5.5				257	8	5		
RL10_HUMAN	no	1.08	0.42	22	9.8	1.04	0.48	25	8.5	1.03	0.46	28	4.3				195	3	3		
PDIA4_HUMAN	no	1.08	0.42	99	11.2	1.20	0.28	104	10.4	1.08	0.38	93	3.9				919	16	13		
PARP1_HUMAN	no	1.09	0.42	110	10.1	1.30	0.20	111	8.0	0.94	0.39	97	5.8			X	1393	25	18		
GUAA_HUMAN	no	1.09	0.42	37	10.7	0.93	0.38	34	9.5	1.19	0.21	37	4.4				296	6	5		
COX5A_HUMAN	no	1.09	0.42	21	11.2	1.05	0.47	23	16.7	1.09	0.36	20	2.9				432	3	2		
3HIDH_HUMAN	no	1.09	0.42	34	15.1	1.28	0.21	30	12.1	1.03	0.46	26	7.7				466	5	4		
RL23_HUMAN	no	1.09	0.42	53	13.3	1.13	0.36	49	10.0	1.09	0.35	43	4.8				607	14	8		
GLRX5_HUMAN	no	1.09	0.42	10	10.0	0.96	0.42	8	16.5	1.28	0.13	8	3.2				153	2	2		
MYH10_HUMAN	no	1.09	0.42	4	1.2	0.75	0.16	7	7.8	0.92	0.37	6	7.7		X		515	10	2		
NAMPT_HUMAN	no	1.09	0.41	73	10.0	1.11	0.38	75	9.4	0.97	0.44	72	6.4			X	719	14	10		
RL27A_HUMAN	no	1.09	0.41	46	8.6	0.73	0.13	44	17.8	1.26	0.15	31	6.3				320	13	6		
TRXR1_HUMAN	no	1.09	0.41	17	11.5	0.89	0.33	19	18.7	1.31	0.11	18	7.3				88	2	2		
SHOT1_HUMAN	no	1.09	0.41	11	8.1	1.06	0.45	15	11.4	1.22	0.19	16	6.1				187	3	2		
FANCI_HUMAN	no	1.09	0.41	30	10.9	1.05	0.47	31	14.3	1.07	0.40	29	9.1				354	5	4		

NONO_HUMAN	no	1.09	0.41	13	10.5	1.02	0.50	16	6.4	1.03	0.46	18	7.6		X		109	4	2	
RAP1A_HUMAN	no	1.09	0.41	41	11.2	1.29	0.20	31	6.6	0.80	0.20	37	8.1				364	7	5	
SF3A3_HUMAN	no	1.10	0.40	47	9.0	1.10	0.40	37	7.5	1.01	0.50	38	5.9				396	7	7	
BPNT1_HUMAN	no	1.10	0.40	40	12.2	0.97	0.43	41	14.7	1.17	0.24	39	6.6				474	5	4	
KTN1_HUMAN	no	1.10	0.40	91	13.6	1.03	0.50	79	10.6	0.95	0.41	89	9.6		X		1198	23	13	
COIL_HUMAN	no	1.10	0.40	9	10.9	1.19	0.30	9	7.3	1.38	0.06	7	2.6				76	2	2	
GDIA_HUMAN	no	1.10	0.40	31	12.1	0.98	0.44	32	13.9	1.15	0.26	33	7.9				432	7	5	
IQGA1_HUMAN	no	1.10	0.40	96	9.6	1.06	0.45	98	10.1	1.11	0.33	88	7.6		X		926	12	11	
SODC_HUMAN	no	1.10	0.40	16	10.6	0.86	0.28	19	11.5	1.15	0.27	19	4.1	X			485	11	2	
ODP2_HUMAN	no	1.10	0.40	37	9.6	0.96	0.42	38	11.6	1.07	0.40	34	5.2				533	5	5	
HN1_HUMAN	no	1.10	0.40	24	10.4	1.58	0.06	24	8.1	0.66	0.06	21	7.4		X		223	2	2	
RL4_HUMAN	no	1.11	0.39	58	7.5	1.07	0.43	61	8.7	1.02	0.49	67	6.8				1209	28	12	
PRPS3_HUMAN	no	1.11	0.39	18	12.1	1.00	0.47	16	12.3	1.12	0.32	16	4.8				142	2	2	
PRP4B_HUMAN	no	1.11	0.39	6	4.8	1.59	0.06	7	18.4	0.86	0.29	4	5.2				189	5	2	
6PGD_HUMAN	no	1.11	0.39	59	9.7	1.14	0.35	57	9.6	0.98	0.46	54	4.8				634	8	6	
FKBP3_HUMAN	no	1.11	0.39	32	10.3	1.14	0.36	34	11.0	1.01	0.50	30	3.3				271	4	4	
SUMO2_HUMAN	no	1.11	0.39	12	4.5	0.63	0.06	15	15.7	1.13	0.29	15	3.4				381	6	3	
PLST_HUMAN	no	1.11	0.39	80	14.3	0.73	0.14	83	22.8	1.07	0.39	74	7.4				1082	17	9	
ILF3_HUMAN	no	1.11	0.39	94	10.4	0.77	0.17	93	13.4	1.06	0.41	90	7.0		X		1513	20	11	
NOMO3_HUMAN	no	1.11	0.39	21	15.0	1.19	0.30	20	11.0	1.01	0.50	14	3.4				323	4	2	
ML12B_HUMAN	no	1.12	0.38	16	12.4	1.16	0.33	17	13.8	1.35	0.08	16	11.1				244	4	2	
GGCT_HUMAN	no	1.12	0.38	23	11.5	1.05	0.46	21	12.4	1.11	0.32	15	3.9	X			226	2	2	
ARPC5_HUMAN	no	1.12	0.38	13	8.8	0.71	0.12	11	9.6	1.28	0.13	12	3.7				202	3	3	
EIF3E_HUMAN	no	1.12	0.38	26	10.4	0.77	0.18	27	18.7	1.28	0.13	28	7.1				105	4	4	
SAR1A_HUMAN	no	1.12	0.38	24	8.6	1.42	0.12	20	7.5	0.97	0.44	25	4.1				223	6	4	
RL13A_HUMAN	no	1.12	0.38	28	12.8	1.15	0.34	26	7.7	1.04	0.44	23	5.4		X		628	11	3	
DDX1_HUMAN	no	1.12	0.38	10	8.1	1.28	0.21	10	4.0	1.15	0.27	9	4.6		X		163	4	3	
CD166_HUMAN	no	1.12	0.38	23	12.0	0.88	0.31	23	12.7	1.13	0.29	19	3.4				275	2	2	
CLIP1_HUMAN	no	1.12	0.38	12	10.9	0.88	0.31	13	16.9	1.13	0.30	16	16.4	X			200	4	3	
RS14_HUMAN	no	1.12	0.38	20	6.4	1.11	0.39	21	9.6	1.02	0.49	17	4.1				393	7	4	
LMNA_HUMAN	no	1.12	0.38	63	11.5	0.96	0.41	72	14.0	1.17	0.25	52	4.1	X		X	737	14	9	
EP15R_HUMAN	no	1.12	0.38	12	22.6	0.85	0.27	11	13.7	1.01	0.50	7	6.0				107	3	2	
CUL3_HUMAN	no	1.12	0.37	13	12.1	1.24	0.25	13	9.6	0.91	0.35	15	8.2	X	X		81	2	2	
SF3B2_HUMAN	no	1.12	0.37	29	11.0	0.93	0.38	30	11.9	1.06	0.42	26	2.7		X		258	6	4	

		S1										S2			S3				
		Mean	Sigma	N	Mean	Sigma	N	Mean	Sigma	N	Mean	Sigma	N	Mean	Sigma	N			
PAIRB_HUMAN	no	1.13	0.37	23	11.1	0.95	0.40	20	13.5	1.06	0.42	23	8.6		X	257	6	3	
SEPT9_HUMAN	no	1.13	0.37	35	15.5	1.10	0.40	34	13.3	1.02	0.48	32	5.9			300	6	5	
MYH9_HUMAN	no	1.13	0.37	178	11.6	1.12	0.38	178	10.4	1.07	0.40	167	7.0		X	2010	28	23	
GUAD_HUMAN	no	1.13	0.37	25	14.3	1.01	0.47	17	8.9	0.93	0.38	22	10.9			387	7	5	
SRRM2_HUMAN	no	1.13	0.37	37	14.5	1.00	0.46	34	15.2	1.01	0.50	35	13.7		X	371	5	4	
TBL1R_HUMAN	no	1.13	0.37	32	10.4	1.03	0.49	37	11.0	1.15	0.26	36	4.5		X	416	4	4	
AXA2L_HUMAN	no	1.13	0.37	58	9.8	1.21	0.28	60	9.3	0.79	0.19	59	10.1			1174	28	9	
E41L1_HUMAN	no	1.13	0.37	12	16.4	1.24	0.25	8	9.0	0.89	0.33	10	11.1			98	3	2	
HNRPQ_HUMAN	no	1.13	0.37	48	11.3	1.08	0.42	46	8.5	1.09	0.36	43	5.3		X	991	14	7	
DIAP1_HUMAN	no	1.13	0.36	46	9.9	0.96	0.42	50	10.3	1.04	0.45	42	8.4			482	10	8	
CDC23_HUMAN	no	1.13	0.36	7	5.9	1.43	0.12	9	8.6	0.75	0.15	7	5.0	X		58	2	2	
AIMP1_HUMAN	no	1.13	0.36	30	8.7	0.95	0.40	32	12.3	1.02	0.49	32	5.1	X		434	4	3	
AFG32_HUMAN	no	1.13	0.36	29	8.9	0.89	0.33	31	12.5	0.94	0.39	26	8.4	X		349	5	5	
PRS10_HUMAN	no	1.14	0.36	46	16.8	0.98	0.44	45	13.4	1.06	0.41	48	8.9	X	X	586	7	6	
PRP6_HUMAN	no	1.14	0.36	14	7.2	1.07	0.44	9	5.4	1.08	0.38	11	3.7			X	79	2	2
TMOD3_HUMAN	no	1.14	0.36	12	7.8	0.96	0.42	16	7.8	1.23	0.17	15	4.6			119	2	2	
SAMH1_HUMAN	no	1.14	0.36	10	7.8	1.32	0.18	16	9.5	0.86	0.29	14	5.7			136	2	2	
AP2B1_HUMAN	no	1.14	0.36	51	7.8	0.96	0.42	53	9.7	1.06	0.41	57	9.0			X	605	10	9
PRP8_HUMAN	no	1.14	0.36	38	10.5	1.55	0.07	44	6.5	0.85	0.26	40	13.1			460	8	7	
PA2G4_HUMAN	no	1.14	0.36	102	10.9	1.14	0.36	99	12.1	0.90	0.33	99	10.1			1213	23	13	
GEMI5_HUMAN	no	1.14	0.36	14	6.6	1.19	0.29	14	9.9	0.69	0.08	14	14.0			X	151	3	3
DPOD1_HUMAN	no	1.14	0.36	10	7.3	0.71	0.12	10	15.7	1.15	0.27	11	5.1	X		109	2	2	
PEBP1_HUMAN	no	1.14	0.36	44	8.8	1.30	0.20	52	7.5	1.00	0.49	39	5.1	X	X	608	10	7	
RAGP1_HUMAN	no	1.14	0.36	37	13.1	1.20	0.29	37	14.0	1.05	0.44	32	6.3	X		383	4	4	
BIG1_HUMAN	no	1.14	0.35	11	13.7	1.14	0.35	15	8.2	1.23	0.17	16	12.2			X	301	4	2
RL1D1_HUMAN	no	1.14	0.35	29	12.0	1.08	0.42	24	11.5	0.96	0.42	23	10.8				659	8	4
AIBP_HUMAN	no	1.14	0.35	32	13.2	1.16	0.33	31	11.9	0.92	0.36	33	11.6				365	5	4
TMEDA_HUMAN	no	1.15	0.35	34	11.2	1.10	0.40	31	8.8	0.96	0.43	32	3.7				294	5	4
H2B1O_HUMAN	no	1.15	0.35	49	12.4	1.15	0.34	49	9.1	0.88	0.31	43	6.6			X	906	17	7
ROCK1_HUMAN	no	1.15	0.35	38	10.4	1.10	0.40	39	9.9	1.01	0.50	34	7.5	X		X	248	5	4
CLIC1_HUMAN	no	1.15	0.35	118	10.2	1.07	0.44	120	9.8	1.05	0.43	115	7.1			X	1802	19	14
AK1A1_HUMAN	no	1.15	0.35	22	7.2	0.99	0.45	28	13.1	1.19	0.21	23	6.4				525	11	4
RBBP7_HUMAN	no	1.15	0.35	54	9.3	0.84	0.26	52	9.0	1.22	0.18	52	5.9			X	516	8	8
EF2_HUMAN	no	1.15	0.35	227	12.4	0.75	0.16	213	17.9	1.26	0.14	215	5.2		X	2219	36	30	

COF1_HUMAN	no	1.15	0.35	86	9.5	1.15	0.34	87	8.2	1.36	0.08	77	2.2	X	X	1370	22	13	
1433F_HUMAN	no	1.15	0.35	31	8.1	1.27	0.22	35	9.6	1.01	0.50	35	5.3	X	X	454	7	5	
RABE1_HUMAN	no	1.15	0.35	17	9.6	1.02	0.49	13	10.4	0.99	0.47	18	6.2	X		119	2	2	
TBA1B_HUMAN	no	1.15	0.35	180	11.9	0.96	0.41	186	11.6	1.39	0.06	171	7.3		X	2456	45	25	
ACADV_HUMAN	no	1.15	0.35	65	11.1	1.22	0.26	69	10.6	0.88	0.31	59	7.6		X	699	13	8	
PRS4_HUMAN	no	1.15	0.35	25	11.9	1.03	0.49	20	7.9	1.07	0.39	28	9.7	X	X	484	6	3	
NP1L4_HUMAN	no	1.15	0.35	21	10.2	1.14	0.35	21	9.6	0.96	0.42	21	3.7		X	208	4	2	
PPID_HUMAN	no	1.15	0.34	38	13.4	0.92	0.37	40	14.7	1.16	0.25	40	5.6			321	5	5	
PCCB_HUMAN	no	1.15	0.34	16	11.8	1.14	0.36	18	12.4	1.08	0.38	15	14.4			218	5	2	
ASH2L_HUMAN	no	1.15	0.34	14	7.3	1.25	0.24	14	12.6	0.89	0.32	14	8.5			164	4	2	
SUCA_HUMAN	no	1.15	0.34	33	11.1	0.87	0.30	31	15.3	1.32	0.10	30	6.6			345	4	4	
EF1B_HUMAN	no	1.16	0.34	36	12.5	1.11	0.39	37	12.6	1.13	0.29	39	8.0			X	596	7	5
NHLC2_HUMAN	no	1.16	0.34	24	14.5	0.98	0.45	20	7.0	0.90	0.34	18	14.1			X	206	3	3
CAP1_HUMAN	no	1.16	0.34	51	8.9	1.01	0.48	41	7.6	1.04	0.45	41	3.0			X	432	11	7
PLSI_HUMAN	no	1.16	0.34	13	4.0	1.07	0.43	15	8.5	1.12	0.32	16	8.5				206	3	2
IPYR2_HUMAN	no	1.16	0.34	29	11.8	1.06	0.45	30	12.0	1.15	0.26	29	5.2				395	7	3
OTUB1_HUMAN	no	1.16	0.34	23	8.3	1.17	0.32	23	8.2	0.89	0.32	24	6.2				251	2	2
TCRG1_HUMAN	no	1.16	0.34	19	8.2	1.14	0.35	20	8.1	1.01	0.50	20	5.6				118	2	2
APMAP_HUMAN	no	1.16	0.34	9	3.3	0.92	0.37	12	16.3	1.17	0.24	8	2.3				280	5	2
RAN_HUMAN	no	1.16	0.34	84	11.8	0.99	0.46	86	14.3	1.08	0.38	70	9.3	X	X		1070	18	12
SODM_HUMAN	no	1.16	0.34	20	8.9	0.91	0.35	19	11.0	1.31	0.10	19	3.3	X	X		279	2	2
PRC2C_HUMAN	no	1.16	0.34	22	13.9	0.99	0.46	20	11.4	1.28	0.12	20	10.3				209	4	3
4F2_HUMAN	no	1.16	0.33	78	10.0	0.92	0.37	70	9.9	1.27	0.14	76	3.8				1173	13	8
ANR50_HUMAN	no	1.16	0.33	14	12.0	1.08	0.43	10	14.0	1.11	0.33	10	7.3				156	2	2
DDX21_HUMAN	no	1.16	0.33	125	11.6	1.19	0.30	110	11.0	1.21	0.20	116	5.6				1112	19	15
TCPB_HUMAN	no	1.16	0.33	92	7.8	1.17	0.32	90	7.8	1.17	0.24	90	3.8				1529	35	12
HCD2_HUMAN	no	1.16	0.33	34	7.3	1.07	0.44	31	6.7	1.15	0.27	27	2.3				385	4	4
ATPB_HUMAN	no	1.17	0.33	53	13.1	0.79	0.20	47	15.0	1.03	0.47	49	9.8				794	13	7
RUVB2_HUMAN	no	1.17	0.33	29	9.0	1.38	0.14	28	8.5	0.84	0.25	27	5.5				494	6	4
FLNB_HUMAN	no	1.17	0.33	375	10.9	0.88	0.30	385	15.0	1.39	0.06	356	6.1				3985	56	48
CSN2_HUMAN	no	1.17	0.33	26	7.8	1.06	0.45	29	9.5	0.92	0.37	25	5.9				497	5	4
RM12_HUMAN	no	1.17	0.33	27	9.6	1.16	0.34	28	12.5	1.15	0.26	26	4.4				474	6	3
CN37_HUMAN	no	1.17	0.33	14	16.1	0.84	0.26	13	13.8	0.96	0.43	15	13.4				208	3	2
PSA4_HUMAN	no	1.17	0.33	20	8.8	1.45	0.11	28	8.2	0.81	0.21	24	14.5	X	X		508	10	5

HNRL2_HUMAN	no	1.17	0.32	54	13.7	1.01	0.48	52	12.3	1.09	0.36	55	8.1		X		305	10	8	
KPYM_HUMAN	no	1.17	0.32	95	8.5	1.22	0.26	97	8.1	0.88	0.31	84	7.0	X		X	1355	23	12	
SAP_HUMAN	no	1.17	0.32	61	12.0	1.33	0.18	57	11.4	0.98	0.46	58	7.5		X		633	10	8	
THOP1_HUMAN	no	1.18	0.32	24	11.5	1.23	0.26	26	9.8	0.89	0.33	11	18.1		X		255	4	4	
HS90A_HUMAN	no	1.18	0.32	305	14.6	1.15	0.34	327	10.3	1.07	0.40	304	15.1		X		6117	103	42	
RS17L_HUMAN	no	1.18	0.32	31	8.3	0.75	0.15	36	21.8	1.42	0.05	30	6.5				386	4	4	
CAND1_HUMAN	no	1.18	0.32	123	10.3	1.33	0.18	130	8.5	0.78	0.18	116	7.3				1584	27	20	
PPIB_HUMAN	no	1.18	0.32	167	9.5	1.32	0.19	156	7.8	0.97	0.44	169	9.7		X		1767	25	21	
TCPQ_HUMAN	no	1.18	0.32	132	10.3	1.01	0.48	140	10.7	1.14	0.28	128	6.3		X		2242	31	18	
ACINU_HUMAN	no	1.18	0.32	23	14.8	0.73	0.14	19	20.4	1.34	0.09	19	4.5	X		X	205	5	3	
HUWE1_HUMAN	no	1.18	0.32	47	12.5	1.34	0.17	48	11.2	0.92	0.37	41	7.8		X		415	13	8	
CD81_HUMAN	no	1.18	0.32	10	5.8	1.13	0.37	11	9.5	0.86	0.28	11	13.3				162	2	2	
NAA15_HUMAN	no	1.18	0.31	29	11.2	1.11	0.39	28	10.2	1.00	0.48	30	6.5			X	220	7	6	
GLU2B_HUMAN	no	1.19	0.31	32	11.7	1.45	0.11	34	10.0	0.94	0.40	31	7.7		X		402	6	4	
CAZA2_HUMAN	no	1.19	0.31	33	8.7	1.40	0.14	36	6.9	0.74	0.13	37	13.9				308	5	4	
MSH2_HUMAN	no	1.19	0.31	21	9.2	1.13	0.37	13	7.6	1.11	0.33	11	1.3	X			204	3	3	
HSP71_HUMAN	no	1.19	0.31	210	10.3	0.85	0.27	212	12.3	1.29	0.12	203	6.1	X		X	3081	49	26	
ERP29_HUMAN	no	1.19	0.31	54	9.0	1.40	0.13	54	6.6	0.90	0.34	48	5.2		X		531	8	6	
ASAHI1_HUMAN	no	1.19	0.31	12	12.4	1.23	0.26	13	18.8	1.09	0.35	16	10.0	X			75	2	2	
API5_HUMAN	no	1.19	0.31	11	3.9	1.26	0.23	15	8.5	0.84	0.25	11	3.4	X			187	3	2	
TPM4_HUMAN	no	1.19	0.31	35	10.4	1.05	0.46	33	9.6	1.09	0.36	31	5.1				157	4	3	
K6PP_HUMAN	no	1.19	0.31	27	9.2	1.01	0.48	22	10.3	1.17	0.25	24	2.6				307	4	3	
PROF1_HUMAN	no	1.19	0.31	337	9.8	1.09	0.41	354	10.9	0.96	0.43	337	8.3		X		4657	63	44	
NSUN2_HUMAN	no	1.19	0.30	83	13.5	0.82	0.23	80	17.4	1.26	0.15	76	4.7		X		628	11	9	
LYRIC_HUMAN	no	1.20	0.30	33	7.2	1.09	0.41	40	14.0	1.02	0.48	40	8.8	X			427	6	5	
PSA3_HUMAN	no	1.20	0.30	14	7.3	0.81	0.22	14	13.6	1.10	0.34	16	8.0	X	X		187	3	2	
RCN1_HUMAN	no	1.20	0.30	42	8.2	1.22	0.27	38	8.4	1.25	0.15	42	6.7				389	6	5	
CKAP4_HUMAN	no	1.20	0.30	18	12.0	1.40	0.14	18	6.7	1.08	0.37	14	7.2				251	5	3	
MARE1_HUMAN	no	1.20	0.30	31	7.5	1.17	0.32	26	8.4	1.21	0.19	32	7.0	X	X		371	6	4	
SUCB2_HUMAN	no	1.20	0.30	43	10.3	1.14	0.35	44	7.8	1.16	0.25	35	6.4				440	10	8	
TR150_HUMAN	no	1.20	0.30	26	9.0	1.38	0.15	23	5.0	0.97	0.44	25	7.8				220	4	4	
PCAT2_HUMAN	no	1.20	0.30	21	8.9	1.61	0.05	17	8.1	0.84	0.25	19	8.1				161	3	3	
DCP1A_HUMAN	no	1.20	0.30	20	8.6	0.97	0.43	20	8.3	1.32	0.10	23	11.9				275	2	2	
1433T_HUMAN	no	1.20	0.29	21	8.7	1.00	0.47	28	11.8	1.22	0.18	27	8.1		X		477	7	3	

SUGT1_HUMAN	no	1.21	0.29	46	10.9	1.00	0.47	44	7.6	1.18	0.23	39	6.9		X			388	5	5
CCD58_HUMAN	no	1.21	0.29	20	8.9	1.21	0.28	16	7.8	0.99	0.47	16	5.1				X	222	3	2
SPTA2_HUMAN	no	1.21	0.29	146	12.0	1.06	0.45	133	11.2	1.26	0.14	126	5.2	X		X		1255	21	17
MCMBP_HUMAN	no	1.21	0.29	14	10.8	1.05	0.46	13	8.7	1.32	0.10	12	9.5		X		X	158	2	2
XRCC6_HUMAN	no	1.21	0.29	125	10.4	1.01	0.48	120	13.2	1.07	0.39	106	3.5				X	1348	16	14
PRDX5_HUMAN	no	1.21	0.29	92	10.2	0.96	0.42	97	13.4	1.13	0.30	75	4.5	X			X	1094	15	12
IPYR_HUMAN	no	1.21	0.29	55	7.8	1.55	0.07	67	7.4	0.92	0.36	48	5.3					1004	11	8
BASI_HUMAN	no	1.21	0.29	25	7.5	1.21	0.28	25	6.2	0.98	0.45	23	4.1					295	3	3
SYMC_HUMAN	no	1.21	0.29	16	9.4	1.53	0.08	14	10.7	0.94	0.39	19	11.2					244	4	3
CDC37_HUMAN	no	1.21	0.29	24	7.0	1.04	0.49	24	11.0	1.18	0.23	23	6.3					240	7	3
LAMC1_HUMAN	no	1.21	0.29	20	7.1	1.09	0.41	21	8.9	1.09	0.36	22	5.9					170	2	2
PDC6I_HUMAN	no	1.22	0.28	72	7.8	1.03	0.50	76	10.8	1.12	0.31	67	6.9	X			X	923	12	9
ZABA_HUMAN	no	1.22	0.28	42	10.3	0.95	0.40	39	12.2	1.37	0.07	39	3.4					362	5	4
DSRAD_HUMAN	no	1.22	0.28	33	8.5	1.38	0.15	33	7.9	0.72	0.12	32	7.9	X			X	481	6	4
IF2P_HUMAN	no	1.22	0.28	70	11.0	0.83	0.25	68	13.4	0.94	0.40	62	4.6				X	677	13	9
BGAL_HUMAN	no	1.22	0.28	10	10.5	1.38	0.15	10	12.3	0.91	0.35	11	10.0					118	4	3
SIAS_HUMAN	no	1.22	0.28	9	9.0	0.92	0.36	8	14.8	1.20	0.20	9	7.7					118	2	2
TPR_HUMAN	no	1.22	0.28	88	9.3	1.10	0.41	91	10.8	1.21	0.19	81	4.3		X		X	970	14	11
RAB7A_HUMAN	no	1.22	0.28	56	9.9	1.03	0.49	50	7.6	1.06	0.42	43	4.7					619	9	6
DNJA2_HUMAN	no	1.22	0.28	39	8.4	1.20	0.29	32	7.7	0.94	0.40	40	5.6					336	4	4
HIBCH_HUMAN	no	1.22	0.28	41	9.5	1.25	0.24	33	7.3	1.07	0.39	36	5.1					446	5	4
ITAV_HUMAN	no	1.22	0.28	29	8.8	1.23	0.26	33	9.4	1.09	0.36	28	7.1	X				270	5	5
DC1L2_HUMAN	no	1.23	0.27	21	8.2	1.10	0.40	20	10.0	1.13	0.29	14	2.0					253	3	2
K6PF_HUMAN	no	1.23	0.27	16	5.4	0.94	0.38	20	10.2	1.11	0.33	14	2.6					243	4	3
TPP2_HUMAN	no	1.23	0.27	84	7.6	1.25	0.24	73	6.1	1.06	0.41	85	8.9					994	12	10
GSHR_HUMAN	no	1.23	0.27	78	10.2	1.01	0.48	73	9.6	1.19	0.21	68	5.0					890	9	8
ROA2_HUMAN	no	1.23	0.27	26	10.3	1.06	0.45	29	14.3	1.21	0.19	18	3.2				X	436	12	4
HMGB1_HUMAN	no	1.24	0.27	64	8.9	0.92	0.36	59	13.5	0.66	0.07	64	13.3	X			X	956	14	9
LAMB1_HUMAN	no	1.24	0.27	39	11.0	1.26	0.23	39	9.2	1.32	0.10	37	3.0					345	6	5
ERLN1_HUMAN	no	1.24	0.27	17	12.5	1.56	0.07	21	9.5	0.97	0.44	19	7.3					109	3	3
SPF45_HUMAN	no	1.24	0.26	28	9.1	1.06	0.45	25	8.5	1.09	0.35	28	9.6		X			226	3	3
CSN4_HUMAN	no	1.24	0.26	27	7.8	1.26	0.23	27	8.5	0.93	0.38	26	7.0					345	5	3
ARPC2_HUMAN	no	1.24	0.26	42	7.9	1.49	0.09	46	6.7	0.80	0.21	39	5.8		X			312	6	6
ATPO_HUMAN	no	1.24	0.26	25	8.4	1.57	0.06	25	7.3	0.90	0.33	25	1.9		X		X	277	6	3

		Panel A												Panel B					
		Panel A				Panel A				Panel A				Panel B		Panel B			
		Mean	SD	Min	Max	Mean	SD	Min	Max	Mean	SD	Min	Max	Mean	SD	Mean	SD		
ECHA_HUMAN	no	1.24	0.26	108	8.7	1.13	0.37	117	8.6	0.92	0.37	104	7.1			X	1306	16	15
STXB3_HUMAN	no	1.24	0.26	19	3.3	1.13	0.37	35	14.6	0.99	0.46	38	12.8				311	6	6
PNO1_HUMAN	no	1.24	0.26	16	13.3	0.92	0.36	16	12.5	1.28	0.13	15	9.0				149	3	2
C1TC_HUMAN	no	1.24	0.26	89	7.7	0.74	0.14	92	11.1	1.29	0.12	84	4.5			X	1165	16	12
CATA_HUMAN	no	1.24	0.26	52	8.4	1.19	0.30	58	10.1	0.94	0.39	51	6.8	X	X		581	7	7
PUR4_HUMAN	no	1.24	0.26	13	6.8	1.11	0.39	13	8.8	1.06	0.41	12	4.7				184	3	2
PSA1_HUMAN	no	1.25	0.26	26	7.6	1.48	0.09	28	6.6	0.81	0.21	15	3.7	X	X	X	309	6	6
ABCF1_HUMAN	no	1.25	0.26	29	13.5	1.00	0.46	28	13.4	1.09	0.36	27	8.5				308	5	3
UBP14_HUMAN	no	1.25	0.26	17	6.6	1.21	0.27	17	11.0	1.00	0.49	16	6.5			X	224	2	2
FUMH_HUMAN	no	1.25	0.25	30	12.1	0.67	0.09	33	25.0	1.29	0.12	25	3.2				493	6	3
IMB1_HUMAN	no	1.25	0.25	19	8.9	1.13	0.37	26	8.8	1.05	0.44	27	4.6	X		X	335	9	4
PREP_HUMAN	no	1.25	0.25	13	16.9	1.05	0.47	14	22.7	1.18	0.23	9	3.6				148	2	2
SYFB_HUMAN	no	1.25	0.25	34	7.2	1.20	0.29	35	6.6	1.16	0.26	36	6.1				556	10	6
SAFB1_HUMAN	no	1.25	0.25	50	11.0	0.88	0.32	48	11.7	1.14	0.28	43	4.9				501	8	7
CD44_HUMAN	no	1.26	0.25	30	9.4	1.14	0.36	26	6.9	1.01	0.50	28	6.1	X			233	3	3
PUS7_HUMAN	no	1.26	0.25	22	7.6	1.11	0.39	22	8.6	1.11	0.33	24	5.7				248	7	3
ASPH_HUMAN	no	1.26	0.25	66	8.6	1.14	0.36	62	7.7	1.12	0.31	54	3.2				925	14	9
ACTN4_HUMAN	no	1.26	0.25	134	9.5	1.16	0.33	134	9.7	1.16	0.25	121	6.1	X		X	1759	28	20
DNLI1_HUMAN	no	1.26	0.25	13	11.4	1.07	0.44	19	9.6	1.17	0.24	15	3.1		X		205	4	2
NOP58_HUMAN	no	1.26	0.25	75	9.0	1.38	0.14	72	7.1	0.97	0.44	70	5.8				1008	9	8
HSPB1_HUMAN	no	1.26	0.25	40	9.0	1.24	0.25	35	10.3	1.05	0.43	32	4.5	X		X	379	5	4
ZN638_HUMAN	no	1.26	0.25	13	16.9	1.28	0.22	12	17.0	1.09	0.36	9	10.3				96	2	2
PUF60_HUMAN	no	1.26	0.24	45	9.6	1.09	0.42	41	8.3	1.21	0.19	45	7.0	X			401	6	5
TPM3_HUMAN	no	1.26	0.24	18	10.4	1.42	0.12	15	11.9	1.04	0.45	10	6.6				163	3	2
THOC3_HUMAN	no	1.27	0.24	32	8.7	1.02	0.49	35	13.2	1.17	0.24	31	5.6				284	4	4
CT027_HUMAN	no	1.27	0.24	12	4.5	1.16	0.33	10	8.5	1.28	0.13	12	6.0				153	3	2
PPCE_HUMAN	no	1.27	0.24	42	9.2	1.45	0.11	45	10.1	1.09	0.37	48	13.0				543	7	6
ZCHC8_HUMAN	no	1.27	0.24	6	5.8	1.00	0.46	4	0.9	1.01	0.50	8	8.4				239	4	2
TCPZ_HUMAN	no	1.27	0.24	122	8.8	0.97	0.43	118	10.1	1.11	0.33	113	6.2			X	1586	21	14
PYR1_HUMAN	no	1.27	0.24	27	14.4	1.57	0.07	26	8.7	0.82	0.23	28	8.1			X	243	5	4
CH60_HUMAN	no	1.27	0.24	283	8.8	1.23	0.26	294	8.3	1.19	0.21	282	5.3	X		X	4152	71	41
SMRC2_HUMAN	no	1.27	0.24	15	10.3	0.92	0.37	19	13.6	1.37	0.07	18	4.5				37	3	3
PLAP_HUMAN	no	1.28	0.23	9	3.8	0.99	0.46	9	6.3	1.33	0.09	4	0.9				31	2	2
BIRC6_HUMAN	no	1.28	0.23	20	16.1	1.01	0.48	19	14.3	1.24	0.16	20	8.3	X	X		166	4	4

		Panel A												Panel B				
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15		
MYPT1_HUMAN	no	1.28	0.23	23	12.3	1.02	0.50	23	19.5	1.11	0.33	22	5.2	X	X	269	4	3
PSIP1_HUMAN	no	1.29	0.23	31	5.8	1.36	0.16	36	5.9	0.82	0.23	27	7.0		X	418	6	4
HINT1_HUMAN	no	1.29	0.23	15	8.4	1.53	0.08	16	10.7	0.81	0.22	19	8.0		X	257	7	3
IVD_HUMAN	no	1.29	0.23	20	5.6	1.09	0.41	20	11.1	1.09	0.35	20	4.1			149	3	3
AGK_HUMAN	no	1.29	0.23	40	8.4	1.11	0.38	44	11.6	1.02	0.49	42	8.7			447	6	6
TKT_HUMAN	no	1.29	0.23	63	8.6	1.17	0.32	67	10.0	0.97	0.45	51	8.3		X	843	15	10
TXD17_HUMAN	no	1.29	0.23	21	8.6	0.89	0.33	24	13.4	1.00	0.48	24	11.5		X	240	5	3
NOP56_HUMAN	no	1.29	0.23	58	8.1	1.21	0.28	59	8.3	1.05	0.42	53	5.3	X		533	8	6
XRCC5_HUMAN	no	1.29	0.23	67	8.2	1.42	0.12	62	8.1	0.86	0.29	62	12.7	X		1001	13	8
RCC1_HUMAN	no	1.29	0.23	23	7.2	1.37	0.15	23	9.1	1.03	0.46	20	3.8		X	304	2	2
RS3_HUMAN	no	1.29	0.23	34	6.5	1.09	0.41	32	7.5	0.91	0.35	32	4.6	X		501	9	4
THIM_HUMAN	no	1.29	0.22	19	5.7	0.92	0.37	21	8.5	1.42	0.05	22	3.6	X		426	3	2
TAGL2_HUMAN	no	1.29	0.22	6	7.7	1.03	0.50	7	4.5	1.35	0.08	6	8.0			172	4	2
DKC1_HUMAN	no	1.30	0.22	32	9.2	1.49	0.09	31	8.4	0.85	0.26	30	10.9			323	6	4
DPYL3_HUMAN	no	1.30	0.22	8	3.6	1.17	0.32	11	8.5	1.01	0.50	8	1.6			447	5	2
P3C2A_HUMAN	no	1.30	0.22	12	11.0	1.31	0.19	9	13.1	1.01	0.50	11	9.7			105	2	2
THIK_HUMAN	no	1.30	0.22	6	3.6	1.50	0.09	7	13.1	0.80	0.20	7	19.9			123	2	2
TALDO_HUMAN	no	1.30	0.22	32	6.4	0.99	0.45	35	9.9	1.07	0.39	32	6.4			711	11	4
HDGR2_HUMAN	no	1.30	0.22	13	5.6	1.03	0.49	18	9.8	1.19	0.21	18	7.4			253	2	2
ACON_HUMAN	no	1.30	0.22	30	8.0	1.09	0.42	30	10.6	1.31	0.11	32	9.0	X		325	9	6
EIF3L_HUMAN	no	1.30	0.22	22	5.9	1.47	0.10	21	5.9	0.99	0.47	21	4.5			51	4	4
NLTP_HUMAN	no	1.30	0.22	38	10.3	0.92	0.36	36	11.0	1.34	0.09	37	5.1			288	5	4
SSRP1_HUMAN	no	1.30	0.22	29	9.2	1.02	0.49	25	8.0	0.87	0.30	25	6.3			389	7	5
UBC9_HUMAN	no	1.30	0.21	18	3.7	1.13	0.36	19	7.6	1.04	0.44	21	11.2		X	404	8	4
SON_HUMAN	no	1.30	0.21	16	8.2	1.11	0.39	15	6.5	1.17	0.24	14	11.4	X		183	3	2
CRKL_HUMAN	no	1.31	0.21	16	7.4	0.99	0.45	18	16.2	1.36	0.08	18	7.5			197	3	3
MCCB_HUMAN	no	1.31	0.21	32	11.3	1.01	0.47	31	11.7	0.90	0.34	31	8.5			276	3	3
TCPE_HUMAN	no	1.31	0.21	138	9.3	1.18	0.30	134	9.6	1.17	0.24	126	5.0			1559	27	17
MAP4_HUMAN	no	1.31	0.21	83	9.2	1.35	0.17	95	8.0	1.06	0.40	86	10.3	X	X	1083	17	13
ASSY_HUMAN	no	1.31	0.21	13	8.5	1.05	0.47	12	9.7	1.37	0.07	8	0.8			131	3	2
MRP4_HUMAN	no	1.31	0.21	11	6.1	1.12	0.38	8	15.7	1.05	0.43	12	10.2			104	3	2
HSP74_HUMAN	no	1.31	0.21	45	9.3	1.24	0.25	41	10.6	1.13	0.30	39	7.0		X	378	9	7
NSF_HUMAN	no	1.31	0.21	32	6.8	0.80	0.21	36	14.8	1.21	0.20	26	2.8			380	6	5
TNPO1_HUMAN	no	1.32	0.21	35	5.8	1.01	0.49	38	10.7	1.12	0.31	39	5.8		X	364	11	6

		Panel A										Panel B			Panel C			
		Mean	SD	N	Mean	SD	N	Mean	SD	N	Mean	SD	N	Mean	SD	N		
TEBP_HUMAN	no	1.32	0.20	96	7.2	1.12	0.38	96	10.6	1.19	0.22	93	7.4			1276	22	14
GBLP_HUMAN	no	1.33	0.20	36	5.8	1.29	0.21	43	6.5	0.98	0.46	32	4.8	X		610	15	6
CALX_HUMAN	no	1.33	0.20	55	11.0	0.85	0.28	55	16.5	1.26	0.15	47	6.7		X	385	8	7
SYK_HUMAN	no	1.33	0.20	33	6.5	1.21	0.28	30	8.1	1.08	0.37	28	4.3		X	502	8	4
ITA6_HUMAN	no	1.33	0.20	45	12.2	1.17	0.32	47	12.1	1.15	0.27	35	10.4	X		460	11	7
ACOT9_HUMAN	no	1.33	0.19	13	8.2	1.28	0.21	11	5.1	1.12	0.32	12	2.9			88	2	2
PUR1_HUMAN	no	1.34	0.19	20	11.2	1.13	0.37	18	10.3	0.93	0.39	18	10.0			187	4	3
ACTY_HUMAN	no	1.34	0.19	18	11.1	0.86	0.28	17	15.6	1.38	0.07	17	3.3			125	2	2
H2AY_HUMAN	no	1.34	0.19	66	5.0	1.43	0.12	69	6.3	1.10	0.34	72	4.6		X	811	12	8
PRPF3_HUMAN	no	1.35	0.19	23	8.5	1.22	0.26	23	9.3	1.30	0.12	18	5.0			259	4	4
PPIA_HUMAN	no	1.35	0.18	77	8.9	1.25	0.24	75	8.0	1.13	0.29	77	8.2		X	1562	33	11
IF2A_HUMAN	no	1.35	0.18	29	8.1	1.29	0.21	27	9.5	1.07	0.40	26	4.3			213	4	4
FABP5_HUMAN	no	1.35	0.18	23	10.1	1.20	0.29	29	7.8	1.13	0.29	23	3.7		X	205	4	4
ARP3_HUMAN	no	1.36	0.18	33	9.2	1.14	0.35	32	10.4	1.33	0.09	25	3.8			210	13	4
TBB2C_HUMAN	no	1.36	0.17	153	8.1	1.11	0.39	147	10.4	1.32	0.10	135	5.9		X	1201	27	22
ESTD_HUMAN	no	1.37	0.17	70	8.7	1.10	0.41	69	7.6	1.17	0.25	71	6.9		X	892	14	12
ECHM_HUMAN	no	1.37	0.17	56	9.4	1.07	0.44	60	14.3	1.25	0.15	58	5.1			845	10	8
PRDX6_HUMAN	no	1.37	0.17	54	5.6	1.30	0.20	47	7.0	1.01	0.50	50	4.5		X	538	11	7
FAH2B_HUMAN	no	1.37	0.17	11	8.9	1.04	0.48	8	8.4	1.24	0.16	12	7.5			170	2	2
RAB1B_HUMAN	no	1.37	0.17	40	10.1	1.53	0.08	36	6.9	1.05	0.43	33	6.1			662	12	6
NAA50_HUMAN	no	1.37	0.17	20	5.9	1.06	0.45	19	6.8	1.32	0.10	20	6.9			182	6	4
ITPR3_HUMAN	no	1.38	0.17	16	7.9	1.08	0.43	18	13.0	1.17	0.25	13	3.8			285	4	3
GMDS_HUMAN	no	1.38	0.16	13	14.8	1.50	0.09	13	16.0	0.88	0.31	12	8.5			71	2	2
TATD1_HUMAN	no	1.38	0.16	25	8.0	1.19	0.30	25	8.5	1.04	0.45	24	4.6			148	3	3
MCTS1_HUMAN	no	1.39	0.16	61	8.3	1.36	0.15	52	6.8	1.05	0.43	62	9.6			676	8	7
TOM40_HUMAN	no	1.39	0.16	16	5.6	1.27	0.22	16	5.0	1.06	0.41	14	8.7			227	5	3
ERI3_HUMAN	no	1.39	0.16	10	8.2	1.12	0.37	9	6.7	1.15	0.27	10	6.7			99	2	2
CHD4_HUMAN	no	1.39	0.16	12	9.8	1.56	0.07	10	8.2	0.76	0.16	9	9.7		X	192	4	2
COR1C_HUMAN	no	1.40	0.16	21	11.4	1.15	0.34	19	11.4	1.21	0.19	22	10.8			199	4	3
CDC42_HUMAN	no	1.40	0.15	33	8.8	1.28	0.22	39	8.9	0.96	0.42	32	5.3		X	320	8	7
IF4G1_HUMAN	no	1.41	0.15	81	9.0	1.35	0.16	79	11.0	1.01	0.49	83	9.9	X		812	11	10
PRS6A_HUMAN	no	1.41	0.15	32	11.2	0.73	0.14	35	16.9	0.91	0.36	33	8.9	X	X	251	5	5
DHE3_HUMAN	no	1.41	0.15	138	8.7	1.37	0.15	140	8.8	1.15	0.27	121	4.5		X	1136	20	15
1433S_HUMAN	no	1.41	0.15	30	9.6	1.20	0.29	31	12.8	1.16	0.25	26	8.5	X	X	244	8	3

TERA_HUMAN	no	1.41	0.15	111	8.5	1.21	0.27	110	7.6	1.00	0.49	104	8.2	X	X	1693	19	14	
TXND5_HUMAN	no	1.41	0.15	21	7.4	1.26	0.23	21	6.5	1.03	0.47	19	4.1	X		195	2	2	
ACADM_HUMAN	no	1.41	0.15	11	7.7	1.16	0.33	15	12.6	1.13	0.29	14	3.3			59	3	3	
HS90B_HUMAN	no	1.42	0.14	161	14.3	1.54	0.07	170	7.6	1.08	0.38	155	17.0			5636	87	23	
H2B1L_HUMAN	no	1.42	0.14	51	7.7	1.06	0.46	50	8.1	1.23	0.18	46	3.0			1365	29	6	
LYPA1_HUMAN	no	1.42	0.14	11	9.7	1.20	0.29	17	10.5	1.10	0.34	16	5.5			208	5	2	
CSN6_HUMAN	no	1.42	0.14	16	3.4	1.36	0.16	17	4.5	0.98	0.46	18	4.9			191	3	2	
SEP11_HUMAN	no	1.42	0.14	33	6.7	1.37	0.15	31	7.2	1.06	0.41	27	3.2			296	4	4	
DNJC7_HUMAN	no	1.42	0.14	47	9.6	1.15	0.34	37	7.8	1.31	0.11	44	8.6			396	6	6	
YTHD3_HUMAN	no	1.42	0.14	25	8.4	1.46	0.10	21	5.7	1.04	0.45	25	7.8			277	4	3	
RM39_HUMAN	no	1.43	0.14	12	7.4	0.81	0.23	10	13.6	1.26	0.14	13	11.6			158	3	2	
CHRD1_HUMAN	no	1.43	0.14	29	8.5	0.97	0.43	24	6.8	1.33	0.10	30	7.9			389	4	3	
CTGE5_HUMAN	no	1.43	0.14	18	13.9	1.31	0.19	18	13.2	1.02	0.49	18	15.9			124	4	2	
RMD1_HUMAN	no	1.44	0.13	25	13.9	1.26	0.23	21	13.2	1.06	0.41	24	5.6			486	7	5	
SLTM_HUMAN	no	1.45	0.13	13	4.1	1.16	0.33	12	6.2	0.73	0.12	13	12.6	X		259	5	4	
SENP3_HUMAN	no	1.47	0.12	16	10.9	1.04	0.48	13	13.0	1.27	0.14	14	7.8			115	2	2	
DJC11_HUMAN	no	1.47	0.12	11	6.6	0.95	0.41	13	8.0	1.30	0.11	14	8.5			171	3	3	
S10AD_HUMAN	no	1.48	0.12	34	10.1	1.35	0.16	33	6.4	1.21	0.19	33	6.2			438	8	4	
VAPB_HUMAN	no	1.48	0.12	29	5.7	1.10	0.40	32	8.5	1.39	0.06	32	6.2	X		134	3	3	
RS27_HUMAN	no	1.48	0.12	33	8.0	1.23	0.25	33	9.5	1.26	0.14	25	5.0	X		187	5	3	
SRPK1_HUMAN	no	1.48	0.12	14	5.4	1.26	0.23	19	9.8	1.38	0.07	18	5.3			125	3	2	
GLOD4_HUMAN	no	1.49	0.11	42	9.2	0.89	0.33	44	15.5	1.24	0.16	41	5.3			564	8	6	
RINI_HUMAN	no	1.49	0.11	13	9.7	1.17	0.31	14	9.9	1.42	0.05	14	4.0			121	3	2	
PRDX3_HUMAN	no	1.49	0.11	40	5.2	0.88	0.31	44	12.8	0.99	0.47	42	8.9	X		372	5	5	
RNZ2_HUMAN	no	1.50	0.11	21	6.5	1.19	0.30	25	9.0	1.19	0.22	24	4.0			138	4	4	
EPN2_HUMAN	no	1.50	0.11	14	6.3	1.20	0.28	14	8.2	1.24	0.16	14	5.4			122	2	2	
GRP78_HUMAN	no	1.50	0.11	157	8.6	1.31	0.19	161	9.1	1.07	0.39	135	8.9	X	X	1833	23	17	
ASNS_HUMAN	no	1.50	0.11	24	9.1	1.35	0.16	24	6.2	1.10	0.34	21	4.8	X	X	193	4	3	
MOV10_HUMAN	no	1.50	0.11	16	10.8	1.15	0.34	19	13.3	1.36	0.08	17	3.8			178	2	2	
QCR7_HUMAN	no	1.50	0.11	34	7.4	1.58	0.06	34	7.4	1.14	0.28	32	6.0			274	4	4	
HNRPR_HUMAN	no	1.50	0.11	84	7.4	1.22	0.27	76	7.9	1.16	0.25	76	4.8			894	17	10	
ELOC_HUMAN	no	1.51	0.10	20	8.8	0.92	0.36	22	17.4	1.27	0.14	22	6.3			271	4	3	
ALDOA_HUMAN	no	1.52	0.10	75	7.9	0.95	0.40	80	12.5	1.34	0.09	65	2.8			1434	25	11	
ENPL_HUMAN	no	1.52	0.10	140	7.3	1.61	0.05	132	5.9	0.95	0.41	136	8.5	X	X	1801	33	22	

SNA_A_HUMAN	no	1.52	0.10	29	7.0	1.39	0.14	26	7.3	0.98	0.45	22	5.0				478	8	4	
PP1R7_HUMAN	no	1.52	0.10	13	5.4	1.62	0.05	13	4.1	0.90	0.34	14	4.0				156	2	2	
GDIB_HUMAN	no	1.53	0.10	39	5.5	1.40	0.14	49	7.8	0.84	0.26	43	5.2	X			497	10	6	
HDGF_HUMAN	no	1.53	0.10	48	6.5	1.43	0.12	42	5.3	1.12	0.31	46	6.1	X			831	14	8	
PUR8_HUMAN	no	1.53	0.10	12	5.1	1.53	0.08	16	6.8	1.24	0.17	12	5.4				291	4	3	
VDAC1_HUMAN	no	1.54	0.09	97	9.6	1.39	0.14	100	9.0	1.09	0.36	89	5.5	X			1392	25	15	
HCDH_HUMAN	no	1.54	0.09	4	0.3	1.35	0.16	11	4.9	1.17	0.24	9	7.3				147	3	2	
RS25_HUMAN	no	1.54	0.09	14	10.6	1.13	0.36	9	10.3	1.25	0.15	9	3.4				263	8	3	
MCM7_HUMAN	no	1.55	0.09	8	1.9	1.47	0.10	8	1.1	0.93	0.37	12	8.4	X			175	4	3	
MPPB_HUMAN	no	1.55	0.09	4	0.2	1.46	0.10	6	7.1	0.96	0.42	4	5.2				181	5	2	
TBA1A_HUMAN	no	1.55	0.09	23	5.8	1.10	0.40	22	8.0	1.37	0.07	22	4.6		X		2237	40	2	
RU1C_HUMAN	no	1.55	0.09	19	9.6	1.34	0.17	18	7.0	1.25	0.15	16	4.7				171	2	2	
PSB3_HUMAN	no	1.56	0.09	13	14.2	1.16	0.33	14	17.6	1.00	0.48	10	5.7	X	X		626	12	3	
GRPE1_HUMAN	no	1.56	0.09	35	8.7	1.31	0.19	35	8.8	1.13	0.30	35	5.6				397	5	4	
SMD2_HUMAN	no	1.56	0.09	31	6.7	1.24	0.25	35	8.3	1.35	0.08	29	4.0				359	6	4	
NDKB_HUMAN	no	1.57	0.08	15	5.8	1.13	0.36	17	8.9	1.09	0.35	10	4.0	X			200	7	3	
ATAD1_HUMAN	no	1.57	0.08	26	5.1	1.31	0.19	24	7.5	1.15	0.27	25	4.2				245	3	3	
NNTM_HUMAN	no	1.57	0.08	63	9.3	1.51	0.08	56	7.3	1.11	0.33	58	8.1				540	9	8	
MTCH2_HUMAN	no	1.57	0.08	23	5.6	1.41	0.13	24	6.2	0.94	0.39	22	4.0				299	5	3	
SRPRB_HUMAN	no	1.58	0.08	18	11.3	1.42	0.12	19	14.8	1.14	0.28	16	6.6				39	2	2	
TGM2_HUMAN	no	1.58	0.08	20	8.5	1.46	0.10	13	3.1	1.06	0.41	16	10.0	X			90	4	3	
ATLA3_HUMAN	no	1.58	0.08	41	7.9	1.25	0.24	39	11.6	1.21	0.19	35	8.0				323	6	5	
PDIA6_HUMAN	no	1.59	0.08	52	7.3	1.56	0.07	53	6.5	1.13	0.29	48	6.0				466	7	6	
ODPA_HUMAN	no	1.59	0.08	9	2.8	1.36	0.16	7	1.5	1.06	0.41	9	9.0				213	4	2	
AT2A2_HUMAN	no	1.59	0.08	46	11.1	1.42	0.12	49	11.7	1.09	0.36	40	14.5				581	10	9	
PDIA1_HUMAN	no	1.59	0.08	101	6.9	1.51	0.08	97	6.5	1.10	0.34	98	6.9	X			1309	20	12	
MDHM_HUMAN	no	1.61	0.07	161	6.9	1.22	0.27	176	9.9	1.18	0.22	151	3.8				1672	21	18	
HNRPD_HUMAN	no	1.61	0.07	56	7.9	1.00	0.47	56	11.3	1.23	0.17	54	3.8				561	6	5	
TOP1_HUMAN	no	1.62	0.07	45	7.0	1.00	0.46	41	10.6	1.08	0.38	42	5.0	X			669	16	7	
ATP5J_HUMAN	no	1.62	0.07	14	9.0	1.39	0.14	13	6.4	1.16	0.25	15	6.5				281	6	2	
HMGB2_HUMAN	no	1.63	0.07	32	6.4	1.36	0.16	32	7.3	1.23	0.17	30	4.5	X			524	9	3	
STXB2_HUMAN	no	1.63	0.07	26	6.8	1.15	0.34	22	14.3	1.30	0.11	22	3.5				181	5	3	
IMMT_HUMAN	no	1.63	0.07	70	7.8	1.33	0.18	62	6.9	1.13	0.29	67	7.9	X			571	8	8	
LDHA_HUMAN	no	1.64	0.07	279	7.0	1.56	0.07	257	6.2	1.18	0.23	272	7.4	X			3079	58	39	

RAP1B_HUMAN	no	1.64	0.06	7	7.1	0.87	0.29	4	3.4	1.15	0.26	8	16.6			283	8	2	
KLC1_HUMAN	no	1.64	0.06	26	7.8	0.94	0.39	19	6.6	1.30	0.11	23	4.4		X	225	3	3	
FIP1_HUMAN	no	1.66	0.06	4	2.2	1.06	0.46	8	11.1	1.21	0.20	4	2.3			96	3	2	
MYOF_HUMAN	no	1.66	0.06	46	11.3	1.33	0.18	45	12.1	1.23	0.17	44	10.8			532	12	9	
PCNP_HUMAN	no	1.67	0.06	29	9.1	1.08	0.43	33	16.6	1.40	0.06	31	6.9			124	4	4	
CK054_HUMAN	no	1.68	0.06	34	6.4	1.43	0.12	32	7.6	1.20	0.21	23	3.6			215	4	4	
DDAH1_HUMAN	no	1.68	0.06	20	5.7	1.16	0.33	18	7.8	1.25	0.15	18	3.9			125	3	2	
RL5_HUMAN	no	1.68	0.05	62	9.7	1.21	0.27	56	7.3	1.41	0.06	51	9.1		X	897	18	8	
ADT2_HUMAN	no	1.68	0.05	93	7.7	1.41	0.13	97	7.6	1.06	0.41	97	8.5		X	1368	19	11	
PSA6_HUMAN	no	1.69	0.05	37	6.5	1.18	0.31	42	10.2	1.10	0.35	32	2.6	X	X	X	525	8	5
DHB12_HUMAN	no	1.69	0.05	10	9.9	1.49	0.09	10	7.7	0.89	0.32	10	10.0				167	2	2
1433G_HUMAN	no	1.70	0.05	29	7.9	1.54	0.07	23	4.9	1.12	0.31	31	9.7		X	X	362	6	4
AT1A1_HUMAN	no	1.70	0.05	79	6.8	1.00	0.46	78	9.8	1.36	0.08	72	4.2				694	12	9