

Table S2. Prevalence of Virulence Factors in ExPEC Isolates from Humans and River Water^a

Factor	no. of isolates (%)	
	river water (n=15)	human (n=9)
<i>fimB</i>	0	0
<i>fimC</i>	0	0
<i>fimD</i>	0	0
<i>cdtC</i>	0	0
<i>cdtB</i>	0	0
<i>cdtA</i>	0	0
<i>espG</i>	0	0
<i>ler</i>	0	0
<i>escR</i>	0	0
<i>escS</i>	0	0
<i>escT</i>	0	0
<i>escU</i>	0	0
<i>cesD</i>	0	0
<i>escC</i>	0	0
<i>escJ</i>	0	0
<i>sepZ</i>	0	0
<i>escV</i>	0	0
<i>escN</i>	0	0
<i>sepQ</i>	0	0
<i>espH</i>	0	0
<i>cesF</i>	0	0
<i>tir</i>	0	0
<i>cesT</i>	0	0
<i>eae</i>	0	0
<i>escD</i>	0	0
<i>sepL</i>	0	0
<i>espA</i>	0	0
<i>espD</i>	0	0
<i>espB</i>	0	0
<i>escF</i>	0	0
<i>espF</i>	0	0
<i>stx1A</i>	0	0
<i>stx1B</i>	0	0
<i>stx2A</i>	0	0
<i>stx2B</i>	0	0
<i>paa</i>	0	0
<i>hlyA</i>	8 (53.3)	0
<i>hlyB</i>	8 (53.3)	0
<i>hlyC</i>	8 (53.3)	0
<i>hlyD</i>	8 (53.3)	0
<i>espP</i>	0	0
<i>toxB</i>	0	0
<i>pic</i>	0	0
<i>fimE</i>	15 (100)	9 (100)
<i>fimA</i>	15 (100)	9 (100)
<i>fimI</i>	15 (100)	9 (100)
<i>fimF</i>	15 (100)	9 (100)

<i>fimG</i>	15 (100)	9 (100)
<i>fimH</i>	15 (100)	9 (100)
<i>papI</i>	15 (100)	4 (44.4)
<i>papB</i>	15 (100)	4 (44.4)
<i>papA</i>	15 (100)	4 (44.4)
<i>papH</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>papC</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>papD</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>papJ</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>papK</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>papE</i>	12 (80)	4 (44.4)
<i>papF</i>	12 (80)	4 (44.4)
<i>papG</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>sat</i>	3 (20)	6 (66.7)
<i>tsh</i>	13 (86.7)	3 (33.3)
<i>chuS</i>	15 (100)	4 (44.4)
<i>chuA</i>	15 (100)	4 (44.4)
<i>chuT</i>	15 (100)	4 (44.4)
<i>chuW</i>	15 (100)	4 (44.4)
<i>chuX</i>	15 (100)	4 (44.4)
<i>chuY</i>	15 (100)	4 (44.4)
<i>chuU</i>	15 (100)	4 (44.4)
<i>iroN</i>	7 (46.7)	0
<i>iutA</i>	3 (20)	6 (66.7)
<i>iucD</i>	3 (20)	6 (66.7)
<i>iucC</i>	3 (20)	6 (66.7)
<i>iucB</i>	3 (20)	6 (66.7)
<i>iucA</i>	3 (20)	6 (66.7)
<i>ibeA</i>	4 (26.7)	2 (22.2)
<i>cnf1</i>	8 (53.3)	0
<i>iroE</i>	8 (53.3)	0
<i>iroD</i>	8 (53.3)	0
<i>iroC</i>	7 (46.7)	0
<i>iroB</i>	7 (46.7)	0
<i>papX</i>	14 (93.3)	9 (100)
<i>nleA</i>	0	0
<i>nleC</i>	0	0
<i>nleD</i>	0	0
<i>ecpR</i>	15 (100)	9 (100)
<i>ecpA</i>	15 (100)	9 (100)
<i>ecpB</i>	15 (100)	9 (100)
<i>ecpC</i>	15 (100)	9 (100)
<i>ecpD</i>	15 (100)	9 (100)
<i>ecpE</i>	15 (100)	9 (100)
<i>sitA</i>	15 (100)	9 (100)
<i>sitB</i>	15 (100)	9 (100)
<i>sitC</i>	15 (100)	9 (100)
<i>sitD</i>	15 (100)	9 (100)
<i>map</i>	0	0
<i>ybtE</i>	15 (100)	9 (100)
<i>ybtT</i>	15 (100)	9 (100)
<i>ybtU</i>	15 (100)	9 (100)
<i>irp1</i>	15 (100)	9 (100)
<i>irp2</i>	15 (100)	9 (100)

<i>ybtA</i>	15 (100)	9 (100)
<i>ybtP</i>	15 (100)	9 (100)
<i>ybtQ</i>	15 (100)	9 (100)
<i>ybtX</i>	15 (100)	9 (100)
<i>ybtS</i>	15 (100)	9 (100)
<i>ireA</i>	4 (26.7)	3 (33.3)
<i>fyuA</i>	15 (100)	9 (100)
<i>aer</i>	15 (100)	9 (100)
<i>afaA</i>	0	0
<i>afaB</i>	0	0
<i>afaE</i>	0	0
<i>astA</i>	0	0
<i>clbB</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>clbN</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>cvaA</i>	5 (33.3)	0
<i>cvaC</i>	1 (6.7)	0
<i>dsdA</i>	15 (100)	9 (100)
<i>etsC</i>	1 (6.7)	0
<i>gafD</i>	0	0
<i>hek</i>	8 (53.3)	0
<i>hra</i>	0	0
<i>hylF</i>	0	0
<i>iha</i>	3 (20)	6 (66.7)
<i>iss</i>	13 (86.7)	9 (100)
<i>bmaE</i>	0	0
<i>kpsM</i>	12 (80)	9 (100)
<i>kpsT</i>	4 (26.7)	1 (11.1)
<i>neuC</i>	7 (46.7)	8 (88.9)
<i>ompT</i>	15 (100)	4 (44.4)
<i>ompTp</i>	0	0
<i>tpcC</i>	0	0
<i>traT</i>	13 (86.7)	9 (100)
<i>draA</i>	0	0
<i>draB</i>	0	0
<i>draC</i>	1 (6.7)	0
<i>draD</i>	1 (6.7)	0
<i>dra2E</i>	0	0
<i>kpsE</i>	12 (80)	9 (100)
<i>kpsF</i>	12 (80)	9 (100)
<i>kpsD</i>	12 (80)	9 (100)
<i>kpsU</i>	12 (80)	9 (100)
<i>kpsC</i>	12 (80)	9 (100)
<i>kpsS</i>	15 (100)	9 (100)
<i>prfH</i>	7 (46.7)	0
<i>prfG</i>	8 (53.3)	0
<i>prfC</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>rfc</i>	1 (6.7)	0
<i>set1</i>	0	0
<i>sen</i>	0	0
<i>aggR</i>	0	0
<i>tosA</i>	0	0
<i>agn43</i>	15 (100)	9 (100)
<i>aidA</i>	0	0
<i>cesD2</i>	0	0

<i>cif</i>	0	0
<i>tia</i>	5 (33.3)	3 (33.3)
<i>vat</i>	13 (86.7)	3 (33.3)
<i>espJ</i>	0	0
<i>tccP</i>	0	0
<i>glrR</i>	15 (100)	9 (100)
<i>malX</i>	15 (100)	9 (100)
<i>usp</i>	15 (100)	3 (33.3)
<i>nfaE</i>	1 (6.7)	0
<i>fliCH7</i>	6 (40)	1 (11.1)
<i>tcpC</i>	9 (60)	1 (11.1)
<i>fepA</i>	15 (100)	9 (100)
<i>aufA</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>aufB</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>aufD</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>aufE</i>	12 (80)	3 (33.3)
<i>csgA</i>	15 (100)	9 (100)
<i>entF</i>	15 (100)	9 (100)
<i>tonB</i>	15 (100)	9 (100)
<i>guaA</i>	15 (100)	9 (100)
<i>argC</i>	15 (100)	9 (100)
<i>proP</i>	15 (100)	9 (100)
<i>aslA</i>	15 (100)	9 (100)
<i>traJ</i>	1 (6.7)	0
<i>clpG</i>	0	0

^aIsolates having the almost identical genome sequences (probably sisiblings) are included in this table.